

# Παντελής Γ. Μπάγκος

Καθηγητής  
Πανεπιστήμιο Θεσσαλίας  
Σχολή Θετικών Επιστημών  
Τμήμα Πληροφορικής με Εφαρμογές στη Βιοϊατρική  
Εργαστήριο Μοριακής και Υπολογιστικής Βιολογίας και Γενετικής

## ΠΡΟΣΩΠΙΚΕΣ ΠΛΗΡΟΦΟΡΙΕΣ

---

- |                           |                       |
|---------------------------|-----------------------|
| ■ Εθνικότητα:             | Ελληνική              |
| ■ Ημερομηνία γέννησης:    | 09/12/1974            |
| ■ Τόπος γέννησης:         | Αθήνα                 |
| ■ Όνομα πατρός:           | Γεώργιος              |
| ■ Όνομα μητρός:           | Φωτεινή               |
| ■ Οικογενειακή κατάσταση: | Έγγαμος με δύο παιδιά |

## ΣΠΟΥΔΕΣ

---

- 2001-2005  
Πανεπιστήμιο Αθηνών, Τμήμα Βιολογίας  
**Διδακτορική Διατριβή (PhD)**  
Θέμα: «Πρόγνωση δομής και λειτουργίας μεμβρανικών πρωτεϊνών»  
Βαθμός: ΑΡΙΣΤΑ (ομόφωνα)
- 2001-2002  
Ελληνικό Ανοικτό Πανεπιστήμιο (ΕΑΠ)  
**Πιστοποιητικό Μεταπτυχιακής Επιμόρφωσης (PGCE) στην ΕΚΠΑΙΔΕΥΣΗ ΕΝΗΛΙΚΩΝ**  
Βαθμός: 7.2 (ΛΙΑΝ ΚΑΛΩΣ)
- 1999-2001  
Π.Μ.Σ. ΒΙΟΣΤΑΤΙΣΤΙΚΗΣ, που διοργανώνεται από τα Τμήματα Μαθηματικών των Παν/μίων Αθηνών και Ιωαννίνων και την Ιατρική Σχολή του Παν/μίου Αθηνών  
**Μεταπτυχιακό Δίπλωμα Ειδίκευσης (MSc) στη ΒΙΟΣΤΑΤΙΣΤΙΚΗ**  
Βαθμός πτυχίου: 8,60 (ΑΡΙΣΤΑ)  
Διπλωματική Εργασία: «Πιθανοθεωρητικά Μοντέλα στη μελέτη της ακολουθίας των βάσεων του DNA»
- 1992-1997  
Πανεπιστήμιο Αθηνών, Τμήμα Βιολογίας  
**Πτυχίο (BSc) στη ΒΙΟΛΟΓΙΑ**  
Βαθμός: 6,85 (ΛΙΑΝ ΚΑΛΩΣ)  
Διπλωματική Εργασία: «Βιοχημικός καθαρισμός της Λεκτίνης Concanavalin-A, κρυστάλλωση και δομικές μελέτες των συμπλόκων της με γλυκο- και μανο-πυρανοζίτες και υδρόφοβα μόρια και

ενεργειακοί υπολογισμοί με την χρήση Ηλεκτρονικού Υπολογιστή»

## **ΑΚΑΔΗΜΑΙΚΕΣ ΘΕΣΕΙΣ**

---

- 11/2018- σήμερα  
*Σχέση εργασίας:* Καθηγητής  
*Φορέας:* Πανεπιστήμιο Θεσσαλίας, Τμήμα Πληροφορικής με εφαρμογές στη Βιοϊατρική
- 12/2014- 11/2018  
*Σχέση εργασίας:* Αναπληρωτής Καθηγητής  
*Φορέας:* Πανεπιστήμιο Θεσσαλίας, Τμήμα Πληροφορικής με εφαρμογές στη Βιοϊατρική
- 11/2017-12/2017  
*Σχέση εργασίας:* Αναπληρωτής Καθηγητής (Επισκέπτης με το θεσμό του "Πανεπιστημίου της Διασποράς")  
*Φορέας:* Πανεπιστήμιο Κύπρου, Ιατρική Σχολή
- 12/2008- 12/2014  
*Σχέση εργασίας:* Επίκουρος Καθηγητής  
*Φορέας:* Πανεπιστήμιο Θεσσαλίας, Τμήμα Πληροφορικής με εφαρμογές στη Βιοϊατρική
- 10/2017-σήμερα  
*Σχέση εργασίας:* Συνεργαζόμενο Εκπαιδευτικό Προσωπικό (ΣΕΠ) και Συντονιστής της Θεματικής Ενότητας «Γενετική»  
*Φορέας:* Ελληνικό Ανοικτό Πανεπιστήμιο (ΕΑΠ), Πρόγραμμα Σπουδών στις Φυσικές Επιστήμες
- 10/2010- 7/2011 και 10/2013-σήμερα  
*Σχέση εργασίας:* Συνεργαζόμενο Εκπαιδευτικό Προσωπικό (ΣΕΠ)  
*Φορέας:* Ελληνικό Ανοικτό Πανεπιστήμιο (ΕΑΠ), Πρόγραμμα Σπουδών στις Φυσικές Επιστήμες
- 12/2013- 3/2014  
*Σχέση εργασίας:* Άμισθος Επισκέπτης Ερευνητής  
*Φορέας:* Science for Life Laboratory (SciLifeLab), Stockholm University
- 10/2012- 7/2013  
*Σχέση εργασίας:* Συνεργαζόμενο Εκπαιδευτικό Προσωπικό (ΣΕΠ)  
*Φορέας:* Ελληνικό Ανοικτό Πανεπιστήμιο (ΕΑΠ), Μεταπτυχιακό Πρόγραμμα Σπουδών Εξειδίκευσης Καθηγητών Φυσικών Επιστημών
- 02/2006- 12/2008  
*Σχέση εργασίας:* Διδάσκων (Επίκουρος Καθηγητής) σύμφωνα με το Π.Δ. 407/80  
*Φορέας:* Πανεπιστήμιο Στερεάς Ελλάδος, Τμήμα Πληροφορικής με εφαρμογές στη Βιοϊατρική
- 02/2007- 09/2007  
*Σχέση εργασίας:* Διδάσκων (Λέκτορας) σύμφωνα με το Π.Δ. 407/80  
*Φορέας:* Πανεπιστήμιο Πελοποννήσου, Τμήμα Επιστήμης και Τεχνολογίας Υπολογιστών
- 02/2007- 01/2008,  
*Σχέση εργασίας:* Μεταδιδακτορικός Υπότροφος του Ιδρύματος Κρατικών Υποτροφιών (ΙΚΥ)  
*Φορέας:* Πανεπιστήμιο Αθηνών, Τμήμα Βιολογίας
- 11/2002-05/2005  
*Υπότροφος Υποψήφιος Διδάκτορας (ΗΡΑΚΛΕΙΤΟΣ).*  
*Φορέας:* Πανεπιστήμιο Αθηνών, Τμήμα Βιολογίας

## **ΔΙΔΑΚΤΙΚΟ ΕΡΓΟ**

---

- 12/2014- σήμερα

*Σχέση εργασίας:* Αναπληρωτής Καθηγητής

*Φορέας:* Πανεπιστήμιο Θεσσαλίας, Τμήμα Πληροφορικής με εφαρμογές στη Βιοϊατρική

*Αντικείμενο: Διδασκαλία των προπτυχιακών μαθημάτων:*

- ΒΙΟΛΟΓΙΑ I (Εαρινό Εξάμηνο-αυτοδύναμη διδασκαλία)
- ΒΙΟΛΟΓΙΑ II (Χειμερινό Εξάμηνο-αυτοδύναμη διδασκαλία)
- ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗ I (Χειμερινό Εξάμηνο-αυτοδύναμη διδασκαλία)
- ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗ II (Εαρινό Εξάμηνο-αυτοδύναμη διδασκαλία)

*Αντικείμενο: Διδασκαλία των μεταπτυχιακών μαθημάτων (ΠΜΣ ΒΙΟΙΑΤΡΙΚΗ ΚΑΙ ΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗ):*

- ΥΠΟΛΟΓΙΣΤΙΚΗ ΑΝΑΛΥΣΗ ΒΙΟΛΟΓΙΚΩΝ ΑΛΛΗΛΟΥΧΙΩΝ (Χειμερινό Εξάμηνο – Συντονισμός και αυτοδύναμη διδασκαλία)
- ΜΕΘΟΔΟΛΟΓΙΑ ΤΗΣ ΕΡΕΥΝΑΣ (Εαρινό Εξάμηνο – Συντονισμός και αυτοδύναμη διδασκαλία)
- ΜΟΡΙΑΚΗ ΒΙΟΛΟΓΙΑ ΚΑΙ ΓΕΝΕΤΙΚΗ (Εαρινό Εξάμηνο – Συντονισμός του εκπαιδευτικού έργου)

- 12/2008- 12/2014

*Σχέση εργασίας:* Επίκουρος Καθηγητής

*Φορέας:* Πανεπιστήμιο Θεσσαλίας, Τμήμα Πληροφορικής με εφαρμογές στη Βιοϊατρική

*Αντικείμενο: Διδασκαλία των προπτυχιακών μαθημάτων:*

- ΒΙΟΛΟΓΙΑ I (Εαρινό Εξάμηνο-αυτοδύναμη διδασκαλία)
- ΒΙΟΛΟΓΙΑ II (Χειμερινό Εξάμηνο-αυτοδύναμη διδασκαλία)
- ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗ I (Χειμερινό Εξάμηνο-αυτοδύναμη διδασκαλία)
- ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗ II (Εαρινό Εξάμηνο-αυτοδύναμη διδασκαλία)
- ΕΙΔΙΚΑ ΚΕΦΑΛΑΙΑ ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗΣ ΚΑΙ ΒΙΟΘΙΚΗΣ (Εαρινό εξάμηνο-50% συνδιδασκαλία τα τελευταία χρόνια)

- 10/2017-7/2018

*Σχέση εργασίας:* Συνεργαζόμενο Εκπαιδευτικό Προσωπικό (ΣΕΠ) και Συντονιστής της Θεματικής Ενότητας

*Φορέας:* Ελληνικό Ανοικτό Πανεπιστήμιο (ΕΑΠ), Πρόγραμμα Σπουδών στις Φυσικές Επιστήμες

*Αντικείμενο: Διδασκαλία στη Θεματική Ενότητα ΦΥΕ43 (ΓΕΝΕΤΙΚΗ):*

- ΓΕΝΕΤΙΚΗ
- ΑΝΑΠΤΥΞΙΑΚΗ ΒΙΟΛΟΓΙΑ
- ΕΞΕΛΙΞΗ

- 10/2010- 7/2011 και 10/2013-8/2017

*Σχέση εργασίας:* Συνεργαζόμενο Εκπαιδευτικό Προσωπικό (ΣΕΠ)

*Φορέας:* Ελληνικό Ανοικτό Πανεπιστήμιο (ΕΑΠ), Πρόγραμμα Σπουδών στις Φυσικές Επιστήμες

*Αντικείμενο: Διδασκαλία στη Θεματική Ενότητα ΦΥΕ43 (ΓΕΝΕΤΙΚΗ):*

- ΓΕΝΕΤΙΚΗ
- ΦΥΣΙΟΛΟΓΙΑ
- ΕΞΕΛΙΞΗ

- 10/2012- 7/2013

*Σχέση εργασίας:* Συνεργαζόμενο Εκπαιδευτικό Προσωπικό (ΣΕΠ)

*Φορέας:* Ελληνικό Ανοικτό Πανεπιστήμιο (ΕΑΠ), Μεταπτυχιακό Πρόγραμμα Σπουδών Εξειδίκευσης Καθηγητών Φυσικών Επιστημών

*Αντικείμενο: Διδασκαλία στη Θεματική Ενότητα ΚΦΕ53 (ΟΡΓΑΝΩΣΗ ΤΗΣ ΥΛΗΣ ΣΕ ΕΜΒΙΑ ΣΥΣΤΗΜΑΤΑ)*

- 02/2006- 12/2008

*Σχέση εργασίας:* Διδάσκων (Επίκουρος Καθηγητής) σύμφωνα με το Π.Δ. 407/80

*Φορέας:* Πανεπιστήμιο Στερεάς Ελλάδος, Τμήμα Πληροφορικής με εφαρμογές στη Βιοϊατρική

*Αντικείμενο: Διδασκαλία των προπτυχιακών μαθημάτων:*

- ΒΙΟΛΟΓΙΑ Ι (Εαρινό Εξάμηνο-αυτοδύναμη διδασκαλία)
- ΒΙΟΛΟΓΙΑ ΙΙ (Χειμερινό Εξάμηνο-αυτοδύναμη διδασκαλία)
- ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗ Ι (Χειμερινό Εξάμηνο-αυτοδύναμη διδασκαλία)
- ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗ ΙΙ (Εαρινό Εξάμηνο-αυτοδύναμη διδασκαλία)

■ 02/2007- 09/2007

*Σχέση εργασίας:* Διδάσκων (Λέκτορας) σύμφωνα με το Π.Δ. 407/80

*Φορέας:* Πανεπιστήμιο Πελοποννήσου, Τμήμα Επιστήμης και Τεχνολογίας Υπολογιστών

*Αντικείμενο: Διδασκαλία των προπτυχιακών μαθημάτων:*

- ΕΙΣΑΓΩΓΗ ΣΤΗ ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗ (Εαρινό Εξάμηνο-αυτοδύναμη διδασκαλία)

■ 09/2005- σήμερα

*Σχέση εργασίας:* Διδάσκων με σύμβαση έργου (μέχρι το 2007) και άμισθος διδάσκων μέχρι σήμερα

*Φορέας:* Πανεπιστήμιο Αθηνών, Τμήμα Βιολογίας

*Ερευνητικό πρόγραμμα:* «Π.Μ.Σ. ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗ».

*Φορέας Χρηματοδότησης:* ΕΠΕΑΕΚ-Π.

*Αντικείμενο: Διδασκαλία των μεταπτυχιακών μαθημάτων:*

- ΑΡΧΕΣ ΚΑΙ ΜΕΘΟΔΟΙ ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗΣ, (Χειμερινό Εξάμηνο-25% συνδιδασκαλία)
- ΣΤΑΤΙΣΤΙΚΗ ΣΤΗ ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗ, (Χειμερινό Εξάμηνο-17% συνδιδασκαλία – από το 2013 και μετά και συντονισμός του μαθήματος)
- ΥΠΟΛΟΓΙΣΤΙΚΗ ΑΝΑΛΥΣΗ ΑΚΟΛΟΥΘΙΩΝ, (Εαρινό Εξάμηνο-50% συνδιδασκαλία – για κάποια έτη και συντονισμός του μαθήματος)
- ΜΕΘΟΔΟΛΟΓΙΑ ΕΡΕΥΝΑΣ, (Εαρινό Εξάμηνο-17% συνδιδασκαλία)

---

## ΕΠΙΒΛΕΨΗ ΔΙΠΛΩΜΑΤΙΚΩΝ ΕΡΓΑΣΙΩΝ, ΔΙΔΑΚΤΟΡΙΚΩΝ ΔΙΑΤΡΙΒΩΝ ΚΑΙ ΜΕΤΑΔΙΔΑΚΤΟΡΩΝ ΕΡΕΥΝΗΤΩΝ

---

### Επίβλεψη μεταδιδακτόρων ερευνητών

1. Γεώργιος Παυλόπουλος, **Υποτροφία ΙΚΥ**, 2010-2011 (τώρα Ερευνητής Β, ΕΚ ΦΛΕΜΙΝΓΚ)
2. Στέφανος Μπονόβας, **Επισκέπτης Μεταδιδακτορικός Ερευνητής (ν.4009/2011) με Εκπαιδευτική άδεια από το ΚΕΕΛΠΝΟ**, 2011-2012 (τώρα Επίκουρος Καθηγητής, Humanitas University, Milan, Italy)
3. Μαργαρίτα Θεοδωροπούλου, **Υποτροφία ΙΚΥ**, 2015-2016 (τώρα Πανεπιστημιακός Υπότροφος, Πανεπιστήμιο Θεσσαλίας)
4. Παναγιώτα Κοντού, **Υποτροφία ΙΚΥ**, 2016-2017 (τώρα Πανεπιστημιακός Υπότροφος, Πανεπιστήμιο Θεσσαλίας)
5. Κατερίνα Πανταβού, **Υποτροφία ΙΚΥ**, 2017-2019 (τώρα Υπότροφος ΕΛΙΔΕΚ, Γεωπονικό Πανεπιστήμιο)
6. Παναγιώτα Κοντού, **Υποτροφία ΙΚΥ**, 2019-2032 (σε εξέλιξη)
7. Ελένη Βλάχου, **Υποτροφία ΙΚΥ**, 2019-2021 (σε εξέλιξη)

### Διδακτορικές Διατριβές (Επιβλέπων)

1. Βασιλική Καρακιπέ, «**Στατιστικές και Υπολογιστικές Μεθοδολογίες στην Εκπαιδευτική Έρευνα**», Παν/μιο Θεσσαλίας (σε εξέλιξη)
2. Κωνσταντίνα Βέννου, «**Μεθοδολογίες Υπολογιστικής Ανάλυσης και Μετα-ανάλυσης**

**Δεδομένων Γονιδιακής Έκφρασης»,** Παν/μιο Θεσσαλίας, Υποτροφία ΙΚΥ (σε εξέλιξη)

3. Ahmed Fouaad Elsayed Atia Roumia, «**Computational studies for protein structure and function prediction**», Παν/μιο Θεσσαλίας, Υποτροφία ΙΚΥ Ελληνο-Αιγυπτιακή συνεργασία (σε εξέλιξη)
4. Ιωάννης Πετασάκης, «**Υπολογιστικές και μαθηματικές μεθοδολογίες μετα-ανάλυσης βιοϊατρικών δεδομένων**» (σε εξέλιξη)
5. Ιωάννης Ταμπόσης, «**Hidden Markov Models και επεκτάσεις τους στη Βιοπληροφορική**», (σε εξέλιξη)
6. Γεωργία Καπούλα, «**Γενετική Επιδημιολογία Πολυπαραγοντικών Νοσημάτων**», Παν/μιο Θεσσαλίας, (ολοκληρώθηκε τον Φεβρουάριο 2019, τώρα προϊστάμενη βιοχημικού εργαστηρίου Νοσοκομείο Λαμίας)
7. Παναγιώτα Κοντού, «**Ανάλυση Δεδομένων Γονιδιακής Έκφρασης και Πολύπλοκων Βιολογικών Δικτύων**», Παν/μιο Θεσσαλίας, (ολοκληρώθηκε το Δεκέμβριο 2016, τώρα Πανεπιστημιακός Υπότροφος, Πανεπιστήμιο Θεσσαλίας)
8. Νίκη Δήμου, «**Μεθοδολογία γενετικής επιδημιολογίας και μετά-ανάλυσης γενετικών δεδομένων**», Παν/μιο Θεσσαλίας (ολοκληρώθηκε το Σεπτέμβριο 2016, τώρα Πανεπιστημιακός Υπότροφος, Πανεπιστήμιο Ιωαννίνων)

#### Διδακτορικές Διατριβές (μέλος τριμελούς συμβουλευτικής επιτροπής)

1. Γεώργιος Τσαούσης, «**Υπολογιστικές μεθοδολογίες για τη μελέτη διαμεμβρανικών πρωτεϊνών**», Παν/μιο Αθηνών (ολοκληρώθηκε)
2. Μαργαρίτα Θεοδωροπούλου, «**Υπολογιστικές μεθοδολογίες για μελέτη συζευγμένων με G-πρωτεϊνες υποδοχέων**», Παν/μιο Αθηνών (ολοκληρώθηκε)
3. Ορέστης Ευθυμίου, «**Πολυπαραγοντική Επέκταση της Μετα-ανάλυσης**», Παν/μιο Ιωαννίνων (Ολοκληρώθηκε, Μάιος 2017)
4. Γεώργιος Σκούφος, «**Computational methods for identifying and characterizing Bacteria**», Παν/μιο Θεσσαλίας, Τμήμα Ηλεκτρολόγων Μηχανικών και Μηχανικών Υπολογιστών (σε εξέλιξη)
5. Δήμητρα Καραγκιούνη, «**Υπολογιστική Ανάλυση των Λειτουργιών των μη Κωδικών Μεταγράφων στη Γονιδιωματική Ρύθμιση**», Παν/μιο Θεσσαλίας, Τμήμα Ηλεκτρολόγων Μηχανικών και Μηχανικών Υπολογιστών (ολοκληρώθηκε)

#### Διδακτορικές Διατριβές (μέλος επταμελούς εξεταστικής επιτροπής)

1. Ζωή Λίτου, «**Πρόγνωση δομής και τοπολογίας μεμβρανικών πρωτεϊνών**», Παν/μιο Αθηνών, 2009
2. Κωνσταντίνος Μούτσελος, «**Εξόρυξη βιοϊατρικής πληροφορίας με χρήση οντολογιών για τη δημιουργία εικονικών φυσιολογικών μοντέλων (virtual physiological human models) σε συστημική κλίμακα**», Παν/μιο Στερεάς Ελλάδας, 2013

#### Πτυχιακές Εργασίες (Επιβλέπων)

Επίβλεψη Πτυχιακών Εργασιών στο Τμήμα Πληροφορικής με Εφαρμογές στη Βιοϊατρική: Κατερίνα Σκούλτσου, Αθηνά Γρηγοριάδου, Νίκος Νικολακάκης, Ειρήνη Καλαθά, Αλεξάνδρα Βάτσου, Γεωργία Πελέα, Κωνσταντίνα Βέννου, Ελισάβη Νικολάου, Σύλβια Κτιστάκη, Λούης Παπαγεωργίου, Αλέξης Λούιας, Κωνσταντίνα Παπαδημητρίου, Βασίλης Κάργας, Μαριάννα Τσάνα, Θεοδοσία Χαρίτου, Ελένη Τριβύλου, Χρύσα Μαλέσκου, Χριστιάνα Νικολάου, Παναγιώτα Κοντού, Μαρία Χάτζου, Ελένη Οικονόμη, Ηλίας Σπύρος, Αθηνά Αμανατίδου, Χριστίνα Χαραλάμπους, Δήμητρα Φράγκου, Γιάννης Μιντσόπουλος, Δήμητρα Ποχάνη, Μαρία Κάμπα, Χριστίνα Βασιλείου, Σπυριδούλα Μπογιατζή, Ελένη Νυδριώτη, Χριστίνα Κερμελιώτη, Ελένη Χριστοδουλοπούλου, Παμπάλου Ανδρομάχη, Αικατερίνη Παλαιοκρασά (σε εξέλιξη), Στάση Ευαγγελία (σε εξέλιξη), Ανδρονίδου Ελισάβετ- Μαρία (σε εξέλιξη), Κωνσταντίνος Σεϊντής (σε εξέλιξη).

#### Μεταπτυχιακές Διπλωματικές Εργασίες (Επιβλέπων)

Επίβλεψη Διπλωματικών Εργασιών στο ΠΜΣ Βιοπληροφορικής (ΕΚΠΑ): Ουρανία Λιμήτσου, Αγγελική Μπλίνα, Χαρίλαος Μαυρόπουλος, Σεραφείμ Μαυριδής, Παναγιώτα-Άννα Καλοβυρνά, Παρασκευάς Ανθόπουλος, Νικόλαος Τσουκαλάς, Καλλιόπη Σπυριδοπούλου, Σωιράτης

Στούμπος, Σταυρούλα Χατζή, Φανη Μάντζαρη, Δήμητρα Σαραντοπούλου, Μαρία Χάτζου, Ηλίας Ασημάκης, Αλίνα Λογαρίδη, Παναγιώτα Κοντού, Γεώργιος Πλευριάς, Κωνσταντίνα Μέρου, Ελευθερία Δημοπούλου, Θεοδοσία Χαρίτου, Βασιλική Μανιώτη, Μαρία Συντιγάκη, Μαρία Καραγρηγορίου, Θεοδώρα Ταφαρλή.

Επίβλεψη Διπλωματικών Εργασιών στο ΠΜΣ Υπολογιστικής Ιατρικής και Βιολογίας (ΠΘ):  
Γεωργία Καπούλα, Ανθή Κοκκίνου, Ιωάννης Ταμπόσης, Κωνσταντίνα Παπαδημητρίου, Κωνσταντίνα Βέννου, Χριστίνα Κερμελιώτη, Ζαχαλιώτη Σοφία-Χρυσοβαλάντου, Ευγενία Μαλλιαρού, Σταυρούλα Καλοπήτα (σε εξέλιξη), Παπαμιχάλης Κωνσταντίνος (σε εξέλιξη), Ελένη Ντάλλη (σε εξέλιξη), Κακούρας Νικόλαος, Παυλέτση Αλεξάνδρα, Καραθανάση Μαγδαληνή (σε εξέλιξη), Στυλιανού Μαρία (σε εξέλιξη), Παπασπύρου Ηλέκτρα (σε εξέλιξη), Γαρυφάλλη Σοφία (σε εξέλιξη).

## **ΔΙΟΙΚΗΤΙΚΟ ΕΡΓΟ**

---

- 7/2018-σήμερα (τριετής θητεία)  
Πανεπιστήμιο Θεσσαλίας  
Σχολή Θετικών Επιστημών
  - **Κοσμήτορας Σχολής**
- 5/2016-7/2018  
Τμήμα Πληροφορικής με Εφαρμογές στη Βιοϊατρική  
Πανεπιστήμιο Θεσσαλίας
  - **Αναπληρωτής Προέδρου του Τμήματος**
- 30/5/2016-σήμερα  
Τμήμα Πληροφορικής με Εφαρμογές στη Βιοϊατρική  
Πανεπιστήμιο Θεσσαλίας
  - **Διευθυντής Εργαστηρίου Μοριακής και Υπολογιστικής Βιολογίας και Γενετικής (ΦΕΚ 1269/τ. Β'/2015)**
- 5/6/2013-σήμερα  
Τμήμα Πληροφορικής με Εφαρμογές στη Βιοϊατρική  
Πανεπιστήμιο Θεσσαλίας  
**Μέλος Επιτροπών Τμήματος:**
  - Επιτροπή Πτυχιακών Εργασιών
  - Επιτροπή Αναμόρφωσης Προγράμματος Σπουδών
  - Επιτροπή Διαδικτύου
  - Επιτροπή Βιοηθικής και Δεοντολογίας της Έρευνας
  - Μέλος της Εφορευτικής Επιτροπής για εκλογή Προέδρου του Τμήματος (2017)
- Μέλος Επιτροπών ΔΠΜΣ «Βιοϊατρική και Πληροφορική»**
  - Ειδική Διατμηματική Επιτροπή (ΕΔΕ)- Αναπληρωτής Διευθυντής
  - Επιτροπή Επιλογής Μεταπτυχιακών Φοιτητών
  - Συμβουλευτική Επιτροπή κατεύθυνσης «Υπολογιστική Ιατρική και Βιολογία»
  - Συμβουλευτική Επιτροπή κατεύθυνσης «Πληροφορική και ΤΠΕ στην Εκπαίδευση»
- Μέλος Οργάνων Διοίκησης και Επιτροπών Πανεπιστημίου Θεσσαλίας:**
  - Μέλος της Συγκλήτου του ΠΘ (από 2018)
  - Αναπληρωματικό μέλος της Συγκλήτου του ΠΘ (2016-2018)
  - Μέλος της Επιτροπής Ερευνών του ΠΘ (από 2017)
  - Μέλος του Επταμελούς Οργάνου Διοίκησης της ΕΕ του ΠΘ (από 2017)
  - Αναπληρωματικό μέλος της Κεντρικής Εφορευτικής Επιτροπής για την εκλογή Πρότανη και Αντιπροτάνων (2018)

- 01/2009- 5/6/2013

Τμήμα Πληροφορικής με Εφαρμογές στη Βιοϊατρική  
Πανεπιστήμιο Στερεάς Ελλάδας

**Μέλος Προσωρινής Γενικής Συνέλευσης**

**Μέλος Επιτροπών Τμήματος:**

- Επιτροπή Βιβλιοθήκης
- Επιτροπή Πτυχιακών Εργασιών
- Επιτροπή Προγράμματος Σπουδών
- Επιτροπή Κτηρίων

## **ΕΡΓΑΣΙΑΚΗ ΕΜΠΕΙΡΙΑ**

---

- 05/2005-06/2005

*Σχέση εργασίας: Σύμβαση έργου*

*Φορέας: Πανεπιστήμιο Αθηνών, Τμήμα Βιολογίας*

*Ερευνητικό πρόγραμμα: «Π.Μ.Σ. ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗ».*

*Φορέας Χρηματοδότησης: ΕΠΕΑΕΚ-II.*

*Αντικείμενο: **Τεχνικός Εργαστηρίων Η/Υ***

- 06/2005-08/2006

*Σχέση εργασίας: Σύμβαση έργου*

*Φορέας: Πανεπιστήμιο Αθηνών, Τμήμα Βιολογίας*

*Ερευνητικό πρόγραμμα: «ΠΥΘΑΓΟΡΑΣ: Ανάπτυξη πρωτότυπης μεθοδολογίας και λογισμικού για τη δημιουργία πολλαπλών στοιχίσεων αλληλουχιών βιολογικών μακρομορίων και την αντικειμενική τους αξιολόγηση (Π.Ο.Σ.Α.ΒΙΟ.ΜΑ.)».*

*Φορέας Χρηματοδότησης: ΕΠΕΑΕΚ-II.*

*Αντικείμενο: **Ανάπτυξη αλγορίθμων (συμμετοχή στα πακέτα εργασίας ως ερευνητής)***

- 11/2002-05/2005

*Σχέση εργασίας: Σύμβαση έργου*

*Φορέας: Πανεπιστήμιο Αθηνών, Τμήμα Βιολογίας*

*Ερευνητικό πρόγραμμα: «ΗΡΑΚΛΕΙΤΟΣ: Πρόγνωση δομής και λειτουργίας μεμβρανικών πρωτεϊνών».*

*Φορέας Χρηματοδότησης: ΕΠΕΑΕΚ-II.*

*Αντικείμενο: **Υποτροφία για Διδακτορική Διατριβή και Επικουρικό διδακτικό έργο***

- 4/2001-12/2003

*Σχέση εργασίας: Σύμβαση έργου*

*Φορέας: Παν/μιο Αθηνών, τμήμα Βιολογίας,*

*Ερευνητικό πρόγραμμα: «Ανάπτυξη ολοκληρωμένου περιβάλλοντος για τη μελέτη (διαμεμβρανικών) πρωτεϊνικών υποδοχέων και των υποκαταστατών τους στο διαδίκτυο»*

*Φορέας Χρηματοδότησης: ΙΝΤΡΑΚΟΜ Α.Ε.*

*Αντικείμενο: **Συγγραφή και έλεγχος λογισμικού.** Επικεφαλής πενταμελούς ομάδας, με ευθύνη τη δημιουργία, διαχείριση, ενημέρωση και σχολιασμό της σχεσιακής βάσης δεδομένων.*

*Συμμετοχή στη μεταγλώττιση προγνωστικών αλγορίθμων από γλώσσα C σε JAVA*

*Συμμετοχή στη διαδικασία εγκατάστασης και ελέγχου του λογισμικού σε διάφορες πλατφόρμες (Windows 2000, SGI-IRIX 6.5, SunOS 2.7, Linux με Kernels 2.4-2.6)*

- 4/2000- 8/2000

*Σχέση εργασίας: Σύμβαση έργου*

*Φορέας: Παν/μιο Αθηνών, Τμήμα Μαθηματικών, ΠΜΣ ΒΙΟΣΤΑΤΙΣΤΙΚΗΣ*

*Φορέας Χρηματοδότησης: ΕΠΕΑΕΚ*

*Αντικείμενο: Τεχνικός εργαστηρίων Η/Υ*

- 09/1998-09/1999  
*Στρατιωτική θητεία:* Σώμα Υγειονομικού, Στρατός Ξηράς  
*Ειδικότητα:* Νοσοκόμος-Τραυματιοφορέας  
Νοσοκόμος-Τραυματιοφορέας (129 Μ/Κ ΜΜΠ, 30 ΛΣ). Θητεία σε Μικροβιολογικό Εργαστήριο (496 ΓΣΝΔ), και στις Τεχνικές Υπηρεσίες (401 ΓΣΝΑ)
- 09/2003-06/2004  
*Φορέας:* Ιδιωτικό Γυμνάσιο-Λύκειο «Σχολή Πετράκη-Βαλσαμίδη», Πειραιάς  
*Σχέση εργασίας:* Προσωρινός Αναπληρωτής Καθηγητής (ΠΕ4)  
*Αντικείμενο: Διδασκαλία μαθημάτων Βιολογίας Γενικής Παιδείας, Θετικής Κατεύθυνσης καθώς και Περιβαλλοντικών Επιστημών* στις τάξεις Α' και Γ' Γυμνασίου καθώς και Β' και Γ' Λυκείου. (12 ώρες/εβδομάδα). Πραγματικός χρόνος διδακτικής προϋπηρεσίας 6 μήνες 20 ημέρες.  
Συμμετοχή ως εξεταστής, στις πανελλήνιες εξετάσεις της ίδιας χρονιάς (Βιολογία Γενικής Παιδείας, Γ' Λυκείου).  
Υπεύθυνος Καθηγητής τμήματος Α' Γυμνασίου.
- 09/2000-02/2001, 09/2001-06/2002  
*Φορέας:* Ινστιτούτο Επαγγελματικής Κατάρτισης (ΙΕΚ) ΕΛΕΥΣΙΝΑΣ (ΟΑΕΔ)  
*Σχέση εργασίας:* Ωρομίσθιος Καθηγητής  
*Αντικείμενο: Διδασκαλία των εξαμηνιαίων μαθημάτων:*
  - ΑΝΑΤΟΜΙΑΣ-ΦΥΣΙΟΛΟΓΙΑΣ,
  - ΜΙΚΡΟΒΙΟΛΟΓΙΑΣ-ΥΓΙΕΙΝΗΣ,
  - ΑΝΑΤΟΜΙΑΣ-ΦΥΣΙΟΛΟΓΙΑΣ ΜΥΟΣΚΕΛΕΤΙΚΟΥ ΣΥΣΤΗΜΑΤΟΣ,
  - ΘΕΜΑΤΙΚΩΝ ΕΡΓΑΣΙΩΝ ΚΑΙ
  - Α' ΒΟΗΘΕΙΩΝσε σπουδαστές του Α', Γ' και Δ' εξαμήνου της ειδικότητας Νοσηλευτικής-Τραυματιολογίας, 350 συνολικές ώρες διδασκαλίας.

## **ΕΠΙΣΤΗΜΟΝΙΚΟΣ ΥΠΕΥΘΥΝΟΣ ΣΕ ΕΡΕΥΝΗΤΙΚΑ ΠΡΟΓΡΑΜΜΑΤΑ**

- 1/2017-12/2019, Εκπρόσωπος του Πανεπιστημίου Θεσσαλίας στο ΔΣ της Υποδομής ELIXIRgr  
*Πράξη:* «Η Ελληνική Ερευνητική Υποδομή για Διαχείριση και Ανάλυση Δεδομένων στις Βιοεπιστήμες» με Κωδικό ΟΠΣ 5002780 στο Επιχειρησιακό Πρόγραμμα «Ανταγωνιστικότητα Επιχειρηματικότητα και Καινοτομία 2014-2020»  
**Συνολικός προϋπολογισμός για το Εργαστήριο Μοριακής και Υπολογιστικής Βιολογίας και Γενετικής: €180.000**
- 4/2017-4/2019, Ακαδημαϊκός Υπεύθυνος  
*Ερευνητικό πρόγραμμα χρηματοδοτούμενο από το ΙΚΥ (μεταδιδακτορική έρευνα για υποτροφία στην Κ. Πανταζού):* «Μετα-ανάλυση μελετών Περιβαλλοντικής και Γενετικής Επιδημιολογίας»  
**Συνολικός προϋπολογισμός €26.141**
- 12/2019-11/2021, Ακαδημαϊκός Υπεύθυνος  
*Ερευνητικό πρόγραμμα χρηματοδοτούμενο από το ΙΚΥ (υποτροφία για μεταδιδακτορική διατριβή στην Παναγιώτα Κοντού):* «Ανάλυση Πολύπλοκων Βιολογικών Δικτύων: Δίκτυα Γονιδιακών Πολυμορφισμών-Γονιδιακής Έκφρασης- Ασθενειών»,  
**Συνολικός προϋπολογισμός €26.400**
- 12/2019-11/2021, Ακαδημαϊκός Υπεύθυνος  
*Ερευνητικό πρόγραμμα χρηματοδοτούμενο από το ΙΚΥ (υποτροφία για μεταδιδακτορική διατριβή στην Ελένη Βλάχου):* «Αντιληπτική μάθηση και γενίκευση σε απαιτητικά ακουστικά και φωνητικά περιβάλλοντα»,



**Συνολικός προϋπολογισμός €26.400**

- 12/2016-8/2017, Ακαδημαϊκός Υπεύθυνος  
*Ερευνητικό πρόγραμμα χρηματοδοτούμενο από το ΙΚΥ (μεταδιδασκτορική έρευνα για υποτροφία στην Π. Κοντού): «Μεθοδολογία μέτα-ανάλυσης δεδομένων από μικροσυστοιχίες»*

**Συνολικός προϋπολογισμός €19.000**

- 7/2015-6/2017, Επιστημονικός Υπεύθυνος και κύριος ερευνητής  
*«Κατασκευή Πιλοτικού Πληροφοριακού Συστήματος Καταγραφής Ασθενών», Ιδιωτική Χορηγεία*

**Συνολικός προϋπολογισμός 17.250 €**

- 4/2015-8/2016, Ακαδημαϊκός Υπεύθυνος  
*Ερευνητικό πρόγραμμα χρηματοδοτούμενο από το ΙΚΥ (μεταδιδασκτορική έρευνα για υποτροφία στην Μ. Θεοδώροπούλου): «Βιοπληροφορικές Μελέτες Δομής και Λειτουργίας σε Μεμβρανικές Πρωτεΐνες»*

**Συνολικός προϋπολογισμός €19.900**

- 09/12/16 - 08/12/19, Ακαδημαϊκός Υπεύθυνος  
*Ερευνητικό πρόγραμμα χρηματοδοτούμενο από το ΙΚΥ (υποτροφία για διδακτορική διατριβή στην Κ. Βέννου): «Μεθοδολογίες Υπολογιστικής Ανάλυσης και Μετα-ανάλυσης Δεδομένων Γονιδιακής Έκφρασης»*

**Συνολικός προϋπολογισμός €29.408**

- 2/2014-7/2015, Επιστημονικός Υπεύθυνος και κύριος ερευνητής  
*Ερευνητικό πρόγραμμα της ΓΓΕΤ (ΑΡΙΣΤΕΙΑ II).  
«Integration of data from multiple sources: a fusion of epidemiology and bioinformatics with applications to complex diseases»*

**Συνολικός προϋπολογισμός €180.000**

- 3/2012-2/2015, **Επιστημονικός Υπεύθυνος για το ΠΣΕ**  
*Ερευνητικό πρόγραμμα ΓΓΕΤ (ΣΥΝΕΡΓΑΣΙΑ 2009).  
«Σύγχρονες μέθοδοι βιοπληροφορικής για τη μελέτη της δράσης των μεμβρανικών υποδοχέων και της εμπλοκής τους σε παθολογικές καταστάσεις»*

ΕΚΠΛΑ-ΠΣΕ-ΙΝΤΡΑΣΟΦΤ

**Συνολικός προϋπολογισμός ΠΣΕ €67.300**

- 10/2009 – 10/2010, Επιστημονικός Υπεύθυνος  
*Ερευνητικό πρόγραμμα χρηματοδοτούμενο από το Υπουργείο Υγείας: «Γενετική Επιδημιολογία του Μεταβολικού Συνδρόμου: Εντοπισμός γονιδίων που συμβάλλουν στην προδιάθεση για Υπέρταση, Σακχαρώδη Διαβήτη, Υπερλιπιδαιμία και Παχυσαρκία»*

**Συνολικός προϋπολογισμός €9.000**

- 10/2009 – 10/2010, **Ακαδημαϊκός Υπεύθυνος**  
*Ερευνητικό πρόγραμμα χρηματοδοτούμενο από το ΙΚΥ (μεταδιδασκτορική έρευνα για υποτροφία στον Γ. Πανλόπουλο): «Αλγόριθμοι ομαδοποίησης και οπτικοποίησης στη βιολογία συστημάτων»*

**Συνολικός προϋπολογισμός €7.200**

**ΣΥΜΜΕΤΟΧΗ ΣΕ ΕΡΕΥΝΗΤΙΚΑ ΠΡΟΓΡΑΜΜΑΤΑ**

- 10/2009 – 10/2010, *Ερευνητικό πρόγραμμα χρηματοδοτούμενο από το Υπουργείο Υγείας: «Γενετικοί πολυμορφισμοί στο έμφραγμα του μυοκαρδίου: ο ρόλος του πολυμορφισμού 4G/5G του PAI-1»*
- 2007-2008 *Ερευνητικό πρόγραμμα ΕΛΛΗΝΟ-ΚΥΠΡΙΑΚΗ Συνεργασία 2007 «Ανάπτυξη πρωτότυπης Βιοπληροφορικής μεθοδολογίας για την αναγνώριση γειτονικών στο χώρο διαμεμβρανικών α-ελίκων σε πολυτοπικές διαμεμβρανικές πρωτεΐνες από την αμινοξική τους ακολουθία».*
- 02/2007-01/2008  
*Ερευνητικό πρόγραμμα μεταδιδασκτορικής έρευνας ΙΚΥ: «Αλγόριθμοι μηχανικής μάθησης στη Βιοπληροφορική».*
- 01/2006-12/2006

Ερευνητικό πρόγραμμα: «ΠΥΘΑΓΟΡΑΣ II: Μαθηματικά μοντέλα στη Βιοπληροφορική».

- 06/2005-08/2006

Ερευνητικό πρόγραμμα: «ΠΥΘΑΓΟΡΑΣ: Ανάπτυξη πρωτότυπης μεθοδολογίας και λογισμικού για τη δημιουργία πολλαπλών στοιχίσεων αλληλουχιών βιολογικών μακρομορίων και την αντικειμενική τους αξιολόγηση (Π.Ο.Σ.Α.ΒΙΟ.ΜΑ.)».

- 5/2005- 6/2008

Ερευνητικό πρόγραμμα: «Π.Μ.Σ. ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗΣ»

- 11/2002-05/2005

Ερευνητικό πρόγραμμα: «ΗΡΑΚΛΕΙΤΟΣ: Πρόγνωση δομής και λειτουργίας μεμβρανικών πρωτεϊνών».

- 4/2001-12/2003

Ερευνητικό πρόγραμμα: «Ανάπτυξη ολοκληρωμένου περιβάλλοντος για τη μελέτη (διαμεμβρανικών) πρωτεϊνικών υποδοχέων και των υποκαταστατών τους στο διαδίκτυο».

- 4/2000- 8/2000

Ερευνητικό πρόγραμμα: «ΒΙΟΣΤΑΤΙΣΤΙΚΗ ΕΝΕΡΓΕΙΑ».

## ΕΡΕΥΝΗΤΙΚΑ ΕΝΔΙΑΦΕΡΟΝΤΑ

---

- **Υπολογιστική Βιολογία και Βιοπληροφορική**

-Πρόγνωση δομής και λειτουργίας μεμβρανικών πρωτεϊνών

-Πρόγνωση σηματοδοτικών ακολουθιών και υποκυτταρικής στόχευσης πρωτεϊνών

-Ανάπτυξη αλγορίθμων για εκτίμηση παραμέτρων σε Markov chains και Hidden Markov Models και εφαρμογές τους στη Βιολογία

-Κατασκευή βάσεων βιολογικών δεδομένων

-Μελέτη πολύπλοκων βιολογικών δικτύων

- **Βιοστατιστική και Γενετική Επιδημιολογία**

-Μεθοδολογία μετα-ανάλυσης

-Μελέτες γενετικής συσχέτισης

-Ασθένειες πολυπαραγοντικής αιτιολογίας

-Ανάλυση γονιδιακής έκφρασης από μικροσυστοιχίες DNA και RNAseq

-Ανάπτυξη λογισμικού βιοστατιστικής

## ΔΗΜΟΣΙΕΥΣΕΙΣ ΣΕ ΔΙΕΘΝΗ ΠΕΡΙΟΔΙΚΑ ΜΕΤΑ ΑΠΟ ΚΡΙΣΗ

---

<http://www.compgen.org/publications/>

1. Georgia G Braliou, Panagiota I Kontou, Haralabia Boleti, Pantelis G Bagos. **Susceptibility to leishmaniasis is affected by host SLC11A1 gene polymorphisms: a systematic review and meta-analysis.** *Parasitology Research*, 2019
2. Vennou KE, Piovani D, Kontou PI, Bonovas S, Bagos PG. **Multiple outcome meta-analysis of gene-expression data in inflammatory bowel disease.** *Genomics*. 2019. pii: S0888-7543(19)30600-7. doi: 10.1016/j.ygeno.2019.09.019
3. Tamposis IA, Tsigirios KD, Theodoropoulou MC, Kontou PI, Tsaousis GN, Sarantopoulou D, Litou ZI and Bagos PG. **JUCHMME: A Java Utility for Class Hidden Markov Models and Extensions for biological sequence analysis.** *Bioinformatics*, 2019
4. Foreiro DA, Lopez-Leon S, González-Giraldo Y, Bagos PG. **Ten simple rules for carrying out and writing meta-analyses.** *PLoS Comput Biol*. 2019 May 16;15(5):e1006922. doi: 10.1371/journal.pcbi.1006922. eCollection 2019
5. Georgia V. Kapoula, Panagiota I Kontou, Pantelis G Bagos. **Diagnostic Accuracy of Neutrophil Gelatinase-Associated Lipocalin for Predicting Early Diabetic Nephropathy in Patients with Type 1 and Type 2 Diabetes Mellitus: A Systematic Review and Meta-analysis.** *The Journal of Applied Laboratory Medicine*, 2019
6. Pantavou KG, Bagos PG. **Season of birth and multiple sclerosis: a systematic review**

- and multivariate meta-analysis.** *J Neurol.* 2019 May 4. doi: 10.1007/s00415-019-09346-5.
7. Panagiota I Kontou, Athanasia Pavlopoulou, Georgia G Braliou, Spyridoula Bogiatzi, Niki L Dimou, Sripal Bangalore, Pantelis G Bagos. **Identification of Gene Expression Profiles in Myocardial Infarction: a Systematic Review and Meta-analysis.** *BMC Medical Genomics*, 2018
  8. Tamosis IA, Tsirigos KD, Theodoropoulou MC, Kontou PI and Bagos PG. **Semi-supervised learning of Hidden Markov Models for biological sequence analysis.** *Bioinformatics*, 2018, in press
  9. Tamosis IA, Theodoropoulou MC, Tsirigos KD, Bagos PG. **Extending Hidden Markov Models to allow conditioning on previous observations.** *Journal of Bioinformatics and Computational Biology.* 2018
  10. Chrissa G Tsiara, Georgios K Nikolopoulos, Niki L Dimou, Katerina G Pantavou, Pantelis G Bagos, Benedicta Mensah, Michael Talias, Georgia G Braliou, Dimitra Paraskeva, Stefanos Bonovas, Angelos Hatzakis. **Interleukin gene polymorphisms and susceptibility to HIV-1 infection: a meta-analysis.** *Journal of Genetics*, 2018
  11. Pavlopoulos GA, Kontou PI, Pavlopoulou A, Bouyioukos C, Markou E, Bagos PG. **Bipartite Graphs in Systems Biology and Medicine: a survey of methods and applications.** *GigaScience*, 2018
  12. Hatzigeorgiou AG, Bagos P, Benos PV, Nikolaou C, Moreau Y, Kavakiotis I (ECCB 2018 Steering Committee). **ECCB 2018: The 17th European Conference on Computational Biology.** *Bioinformatics.* 2018 Sep 1;34(17):i595-8
  13. Medina-Gomez C, Kemp JP, Dimou NL, Kreiner E, Chesi A, Zemel BS, Bønnelykke K, Boer CG, Ahluwalia TS, Bisgaard H, Evangelou E, Heppe DHM, Bonewald LF, Gorski JP, Ghanbari M, Demissie S, Duque G, Maurano MT, Kiel DP, Hsu YH, C J van der Eerden B, Ackert-Bicknell C, Reppe S, Gautvik KM, Raastad T, Karasik D, van de Peppel J, Jaddoe VWV, Uitterlinden AG, Tobias JH, Grant SFA, Bagos PG, Evans DM, Rivadeneira F. **Bivariate genome-wide association meta-analysis of pediatric musculoskeletal traits reveals pleiotropic effects at the SREBF1/TOM1L2 locus.** *Nature Communications* **8**, Article number: 121 (2017)
  14. Theodosiou T, Efstathiou G, Papanikolaou N, Kyripides NC, Bagos PG, Iliopoulos I, Pavlopoulos GA. **NAP: The Network Analysis Profiler, a web tool for easier topological analysis and comparison of medium-scale biological networks.** *BMC Research Notes.* 10:278 (2017)
  15. Pavlopoulou A, Bagos PG, Koutsandrea V, Georgakilas AG. **Molecular determinants of radiosensitivity in normal and tumor tissue: a bioinformatic approach.** *Cancer Letters* 403 (2017) 37-47
  16. Dimou NL, Pantavou KG, Bagos PG. **Apolipoprotein E polymorphism and left ventricular failure in beta-thalassemia: A multivariate meta-analysis.** *Annals of Human Genetics* 81(5):213-223 (2017)
  17. Paraskevopoulou-Kollia EA, Bagos PG. **Bioinformatics Education in Greece: a Survey.** *Biosaintifika: Journal of Biology & Biology Education.* 2017 9(1):1-10
  18. Kapoula G, Kontou PI, Bagos PG. **The impact of pneumatic tube system on routine laboratory parameters: a systematic review and meta-analysis** *Clinical Chemistry and Laboratory Medicine*, 2017 (in press)
  19. Dimou NL, Tsirigos KD, Elofsson A and Bagos PG. **GWAR: Tools for Robust Analysis and Meta-Analysis of Genome-Wide Association Studies.** *Bioinformatics*, 2017 33(10):1521-1527
  20. Bersimis S, Sachlas A, Bagos PG. **Discriminating membrane proteins using the joint distribution of length sums of success and failure runs.** *Stat Methods Appl* (2016).
  21. Tsirigos KD, Elofsson A, Bagos PG. **PRED-TMBB2: Improved topology prediction and detection of beta-barrel outer membrane proteins.** *Bioinformatics*, 2016, 32 (17), i665-i671
  22. Kontou P, Pavlopoulou A, Dimou NL, Pavlopoulos G, Bagos PG. **Data and programs in support of network analysis of genes and their association with diseases.** *Data in Brief.* Volume 8, 2016, Pages 1036–1039
  23. Kontou P, Pavlopoulou A, Dimou NL, Pavlopoulos G, Bagos PG. **Network analysis of genes and their association with diseases.** *Gene*, 2016, Volume 590, Issue 1, 15 2016, Pages 68–78

24. Pavlopoulou A, Savva I, Louka M, Bagos PG, Vorgias CE, Michalopoulos I, Georgakilas AG. **Unraveling the mechanisms of extreme radioresistance in prokaryotes: Lessons from nature.** *Mutation Reviews* 2016 767, 92-107
25. Pantavou K, Braliou GG, Kontou PI, Dimou NL, Bagos PG. **A meta-analysis of FZD3 polymorphisms and their association with schizophrenia.** *Psychiatric genetics*, 26 (2016) 272-280
26. NL Dimou, M Adam, PG Bagos. **A multivariate method for meta - analysis and comparison of diagnostic tests.** *Statistics in Medicine*. 2016. Volume 35, Issue 20, Pages 3509–3523
27. Polymeropoulos E, Bagos P, Toumpoulis I, Papadimitriou M, Rizos I, Patsouris E. **Vitamin C for the prevention of postoperative atrial fibrillation after cardiac surgery: a meta-analysis.** *Advanced Pharmaceutical Bulletin*. 2016 6 (2), 243
28. Vassiliki Tsata, Aristeia Velegraki, Anastasios Ioannidis, Cornelia Pouloupoulou, Pantelis Bagos, Maria Magana, Stylianos Chatzipanagiotou. **Effects of Yeast and Bacterial Commensals and Pathogens of the Female Genital Tract on the Transepithelial Electrical Resistance of HeLa Cells.** *The Open Microbiology Journal*, 2016, 10: 90-96
29. Bagos PG. **Meta-analysis in Stata using gllamm.** *Research Synthesis Methods* 2015 6 (4), 310-332
30. Bagos PG, Adam M. **On the Covariance of Regression Coefficients.** *Open Journal of Statistics*. 2015 5 (07), 680
31. Georgakilas AG, Pavlopoulou A, Louka M, Nikitaki Z, Vorgias CE, Bagos PG, Michalopoulos I. **Emerging molecular networks common in ionizing radiation, immune and inflammatory responses by employing bioinformatics approaches.** *Cancer Lett*. 2015 368(2):164-72
32. Holliday GL, Bairoch A, Bagos PG, Chatonnet A, Craik DJ, Flinn RD, Henrissat B, Landsman D, Manning G, Nagano N, O'Donovan C, Pruitt KD, Rawlings ND, Saier M, Sowdhamini R, Spedding M, Srinivasan N, Vriend G, Babbitt PC, Bateman A. **Key challenges for the creation and maintenance of specialist protein resources.** *Proteins*. 2015;83(6):1005-13
33. Babbitt PC, Bagos PG, Bairoch A, Bateman A, Chatonnet A, Chen MJ, Craik DJ, Flinn RD, Gloriam D, Haft DH, Henrissat B, Holliday GL, Isberg V, Landsman D, Lenfant N, Manning G, Nagano N, Srinivasan N, O'Donovan C, Pruitt KD, Sowdhamini R, Rawlings ND, Saier M, Sharman JL, Spedding M, Tsigirigos KD, Vastermark A, Vriend G. **Creating a Specialist Protein Resource Network: A meeting report for the Protein Bioinformatics and Community Resources Retreat.** *Database*, 2015, bav063
34. Braliou GG, Pantavou KG, Kontou PI, Bagos PG. **Polymorphisms of the CD24 Gene Are Associated with Risk of Multiple Sclerosis: A Meta-Analysis.** *International Journal of Molecular Sciences*. 2015, 16(6): 12368-12381
35. Braliou GG, Grigoriadou AM, Kontou PI, Bagos PG. **The role of genetic polymorphisms of the Renin-Angiotensin System in renal diseases: A meta-analysis.** *Comput Struct Biotechnol J*. 2014 Jun 11;10(16):1-7
36. Nikolopoulos G, Bagos P, Tsangaris I, Tsiara C, Kopterides P, Vaiopoulos A, Kapsimali V, Bonovas S, Tsantes A. **The association between Plasminogen Activator Inhibitor type 1 (PAI-1) levels, PAI-1 4G/5G polymorphism, and myocardial infarction: a Mendelian Randomization meta-analysis** *Clinical Chemistry and Laboratory Medicine*, 2014
37. Pereira TV, Kimura L, Suwazono Y, Nakagawa H, Daimon M, Oizumi T, Kayama T, Kato T, Li L, Chen S, Gu D, Renner W, März W, Yamada Y, Bagos PG, Mingroni-Netto RC. **Multivariate meta-analysis of the association of G-protein beta 3 gene (GNB3) haplotypes with cardiovascular phenotypes.** *Mol Biol Rep*. 2014
38. Tsaousis GN, Bagos PG, Hamodrakas SJ **HMMpTM: Improving transmembrane protein topology prediction using phosphorylation and glycosylation site prediction** *Biochimica et Biophysica Acta (BBA)-Proteins and Proteomics* 2014 1844(2):316-22
39. Hamodrakas SJ, Iliopoulos I, Ouzounis CA, Bagos PG, Promponas VJ **Meeting report: The seventh conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics** *Computational and Structural Biotechnology Journal* 6, 2013
40. Efthimiou O, Mavridis D, Cipriani A, Leucht S, Bagos P, Salanti G. **An approach for modelling multiple correlated outcomes in a network of interventions using odds ratios.** *Stat Med* 2014

41. Koletsis D, Fleming PSS, Sheera J, Bagos P, Pandis N. **Are sample sizes clear and justified in RCTs published in dental journals?** *PLoS ONE*, 2013
42. Ioannidou V, Ioannidis A, Magiorkinis E, Bagos P, Nicolaou C, Legakis N, Chatzipanagiotou S **Multilocus sequence typing (and phylogenetic analysis) of *Campylobacter jejuni* and *Campylobacter coli* strains isolated from clinical cases in Greece 2013** *BMC research notes* 6 (1), 359
43. Tsantes AE, Kopterides P, Bonovas S, Bagos P, Antonakos G, Nikolopoulos GK, Gialeraki A, Kapsimali V, Kyriakou E, Kokori S, Dima K, Armaganidis A, Tsangaris I. **Effect of angiotensin converting enzyme gene I/D polymorphism and its expression on clinical outcome in acute respiratory distress syndrome.** *Minerva Anesthesiol.* 2013;79(8):861-70.
44. Bonovas S, Nikolopoulos GK, Bagos PG. **Bisphosphonate Use and Risk of Colorectal Cancer: A Systematic Review and Meta-analysis.** *British Journal of Clinical Pharmacology*, 2013 76(3):329-337
45. Bagos PG. **Genetic model selection in genome-wide association studies: robust methods and the use of meta-analysis.** *Statistical Applications in Genetic and Molecular Biology*, 2013 12(3):285-308
46. Tsiara C, Nikolopoulos GK, Dimou N, Bagos P, Saroglou G, Velonakis E, Hatzakis A. **Effect of Hepatitis C Virus on Immunologic and Virologic Response in HIV Infected Patients Initiating Highly Active Antiretroviral Therapy: a Meta-Analysis** *Journal of Viral Hepatitis* 2013, 20(10) 715-724
47. Bangalore S, Pursnani S, Kumar S, Bagos PG. **Percutaneous Coronary Intervention versus Optimal Medical Therapy for Prevention of Spontaneous Myocardial Infarction in Subjects with Stable Ischemic Heart Disease.** *Circulation.* 2013 127 (7), 769-781
48. Rabe GL, Wellmann J, Bagos P, Busch MA, Hense HW, Spies C, Weiss-Gerlach E, McCarthy W, Gareca Arizaga MJ, Neuner B. **Efficacy of Emergency Department-Initiated Tobacco Control--Systematic Review and Meta-analysis of Randomized Controlled Trials.** *Nicotine Tob Res.* 2013 15 (3), 643-655
49. Bonovas S, Nikolopoulos GK, Bagos PG **Use of fibrates and cancer risk: a systematic review and meta-analysis of 17 long-term randomized placebo-controlled trials** 2012 *PLoS ONE* 7 (9), e45259
50. Stoubos S, Anthopoulos PG, Hamodrakas SJ, Bagos PG. **The association between apolipoprotein E gene polymorphisms and essential hypertension: a meta-analysis of 45 studies including 13940 cases and 16364 controls.** *Journal of Human Hypertension*, 2012 27 (4), 245-255
51. Bagos PG. **On the covariance of two correlated log-Odds Ratios.** *Statistics in Medicine.* 2012 31(14):1418-31
52. Spyridopoulou K, Dimou NL, Hamodrakas SJ, Bagos PG. **Methylene Tetrahydrofolate Reductase gene polymorphisms and their association with methotrexate toxicity: A meta-analysis.** *Pharmacogenetics and Genomics*, 2012, 22 (2), 117-33
53. Tsiara CG, Nikolopoulos GK, Bagos PG, Goujard C, Katzenstein TL, Minga AK, Rouzioux C, Hatzakis A. **Impact of HIV Type 1 DNA Levels on Spontaneous Disease Progression: A Meta-Analysis.** *AIDS Res Hum Retroviruses.* 2012, 28(4): 366-373
54. Chatzigeorgiou KS, Sergentanis TN, Tsiodras S, Hamodrakas SJ, Bagos PG. **Phoenix 100 versus Vitek 2 in the identification of Gram positive and Gram negative bacteria: a comprehensive meta-analysis.** *J Clin Microbiol.* 2011 49(9):3284-91
55. Bagos PG, Dimou NL, Liakopoulos TD, Nikolopoulos GK. **Meta-analysis of Family-based and Case-control Genetic Association Studies That Use the Same Cases**, 2011 *Statistical Applications in Genetics and Molecular Biology*, 10(1):Article 19
56. Bagos PG, Liakopoulos TD. **A multipoint method for meta-analysis of genetic association studies.** 2010, *Genetic Epidemiology*, 34(7):702-15
57. Nikolopoulos GK, Bagos PG, Lytras T, Bonovas S. **An Ecological Study of the Determinants of Differences in 2009 Pandemic Influenza Mortality Rates between Countries in Europe**, 2011, *PLoS One.* 2011;6(5):e19432
58. Bagos PG. **Meta-analysis of haplotype-association studies: Comparison of methods and an empirical evaluation of the literature**, *BMC Genetics* 2011, 12:8
59. Nikolopoulos GK, Bagos PG, Bonovas S. **Developing the Evidence Base for Cancer**

- Chemoprevention: Use of Meta-Analysis.** *Current Drug Targets*, 2011, 12(13):1989-97
60. Nikolopoulos GK, Masgala A, Tsiara C, Limitsiou OK, Karnaouri AC, Dimou NL, Bagos PG. **Cytokine gene polymorphisms in multiple sclerosis: a meta-analysis of 45 studies including 7,379 cases and 8,131 controls.** 2011 *European Journal of Neurology*, in 18(7):944-51
  61. Pavlopoulos GA, Secrier M, Moschopoulos CN, Soldatos TG, Kossida S, Aerts J, Schneider R, Bagos PG. **Using graph theory to analyze biological networks.** 2011, *BioData Mining*, 4:10
  62. Tsirigos KD, Bagos PG, Hamodrakas SJ. **OMPdb: A database of beta-barrel outer membrane proteins from Gram-negative bacteria,** 2011, *Nucleic Acids Research* 39(Database issue):D324-31
  63. Bagos PG, Nikolaou EP, Liakopoulos TD, Tsirigos KD. **Combined prediction of Tat and Sec signal peptides with Hidden Markov Models,** 2010, *Bioinformatics*, 26: 2811-2817
  64. Satagopam VP, Theodoropoulou MC, Stampoulakis CK, Pavlopoulos GA, Papandreou NC, Bagos PG, Schneider R, Hamodrakas SJ. **GPCRs, G-proteins, Effectors and their interactions: Human-gpDB, a database employing advanced visualization tools and data integration techniques.** *Database*, 2010
  65. Tsaousis GN, Tsirigos KD, Andrianou XD, Liakopoulos TD, Bagos PG, Hamodrakas SJ. **ExTopoDB: A database of experimentally derived topological models of transmembrane proteins.** 2010, *Bioinformatics*, 26(19):2490-2
  66. Bagos PG. **A unification of multivariate methods for meta-analysis of genetic association studies.** *Statistical Applications in Genetics and Molecular Biology*, 2008, 7(1), Article 13
  67. Tsantes A, Tsangaris I, Nikolopoulos G, Bagos P, Kopterides P, Antonakos G, Dimopoulou I, Vrioni G, Kapsimali V, Dima K, Armaganidis A, Travlou A. **The effect of homocysteine on the clinical outcomes of ventilated patients with severe sepsis.** *Minerva Anesthesiologia*, 2010, 76(10):787-94
  68. Anthopoulos PG, Hamodrakas SJ, Bagos PG. **Apolipoprotein E polymorphisms and type 2 Diabetes: a meta-analysis of 30 studies including 5423 cases and 8197 controls.** 2010, *Molecular Genetics and Metabolism*, 100(3):283-91
  69. Dimou NL, Nikolopoulos GK, Hamodrakas SJ, Bagos PG. **Fcgamma receptor polymorphisms and their association with periodontal disease: A meta-analysis.** 2010 *Journal of Clinical Periodontology*, 37(3):255-65
  70. Bonovas S, Nikolopoulos GK, Filioussi K, Peponi E, Bagos PG, Sitaras NM. **Can statin therapy reduce the risk of melanoma? A meta-analysis of randomized controlled trials.** *European Journal of Epidemiology*, 2010;25(1):29-35
  71. Ioannidis A, Ikonomi E, Dimou NL, Douma L, Bagos PG. **Polymorphisms of the Insulin Receptor and the Insulin Receptor Substrates genes in Polycystic Ovary Syndrome: a mendelian randomization meta-analysis.** 2010, *Molecular Genetics and Metabolism*, 99(2):174-183
  72. Bagos PG, Tsirigos KD, Plessas SK, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Prediction of signal peptides in Archaea,** *Protein Engineering Design and Selection*, 2009, 22(1): 27-35
  73. Bagos PG, Tsaousis GN, Hamodrakas SJ. **How many 3D structures do we need to train a predictor?** 2009, *Genomics Proteomics and Bioinformatics* 7(3): 128-137
  74. Tsangaris I, Tsantes A, Bagos P, Nikolopoulos G, Kroupis C, Kopterides P, Dimopoulou I, Orfanos S, Kardoulaki A, Chideriotis S, Travlou A, Armaganidis A. **The effect of plasma homocysteine levels on clinical outcomes of patients with Acute Lung Injury/Acute Respiratory Distress syndrome.** *The American Journal of the Medical Sciences*. 2009, 338(6):474-477.
  75. Bagos PG, Nikolopoulos GK. **Mixed-effects Poisson regression models for meta-analysis of follow-up studies with constant or varying durations.** 2009, *The International Journal of Biostatistics*, 5(1), Article 21.
  76. Bagos PG, Nikolopoulos GK. **Generalized least squares for assessing trends in cumulative meta-analysis with applications in genetic epidemiology.** 2009, *Journal of Clinical Epidemiology*, 62 (10): 1037-1044
  77. Bagos PG. **Plasminogen Activator Inhibitor-1 4G/5G and 5,10-methylene-tetrahydrofolate reductase C677T polymorphisms in Polycystic Ovary Syndrome.**

- 2009, *Molecular Human Reproduction*, **15**(1):19-26
78. Nikolopoulos GK, Dimou NL, Hamodrakas SJ, Bagos PG. **Cytokine gene polymorphisms in periodontal disease: A meta-analysis of 53 studies including 4178 cases and 4590 controls.** *Journal of Clinical Periodontology*, 2008,**35**(9):754-67
  79. Bagos PG, Tsirigos KD, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Prediction of lipoprotein signal peptides in Gram-positive bacteria with a Hidden Markov Model**, 2008, *J Proteome Research*, **7**(12):5082-93
  80. Theodoropoulou MC, Bagos PG, Spyropoulos IC, Hamodrakas SJ. **gpDB: a database of G-proteins, GPCRs, Effectors and their interactions.** *Bioinformatics*. 2008, **24**(12):1471-2
  81. Litou ZI, Bagos PG, Tsirigos KD, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Prediction of Cell Wall sorting signals in Gram-positive bacteria with a Hidden Markov Model: application to complete genomes.** *Journal of Bioinformatics and Computational Biology*, 2008 **6**(2):387-401
  82. Tsantes AE, Nikolopoulos GK, Bagos PG, Bonovas S, Kopterides P, Vaiopoulos G. **The effect of the plasminogen activator inhibitor-1 4G/5G polymorphism on the thrombotic risk.** *Thromb Res*. 2008;**122**(6):736-42
  83. Bagos PG, Nikolopoulos GK. **A method for meta-analysis of case-control genetic association studies using logistic regression.** 2007, *Statistical Applications in Genetics and Molecular Biology*, **6**(1): Article 17
  84. Liappas IA, Nicolaou C, Chatzipanagiotou S, Tzavellas EO, Piperi C, Papageorgiou C, Boufidou F, Bagos P, Soldatos CR. **Vitamin B12 and hepatic enzyme serum levels correlate with interleukin-6 in alcohol-dependent individuals without liver disease.** *Clin Biochem*. 2007, **40** (11): 781-786
  85. Tsantes AE, Nikolopoulos GK, Bagos PG, Tsiara C, Travlou A, Vaiopoulos G. **Plasminogen Activator Inhibitor-1 4G/5G Polymorphism and Risk of Ischemic Stroke: a Meta-Analysis.** 2007, *Blood Coagulation & Fibrinolysis*, **18** (5):497-504
  86. Tsantes AE, Nikolopoulos GK, Bagos PG, Rapti E, Mantzios G, Kapsimali V, Travlou A. **Association between the Plasminogen Activator Inhibitor-1 4G/5G Polymorphism and Venous Thrombosis: a Meta-Analysis.** 2007, *Thrombosis and Haemostasis*, **97** (6): 907-13
  87. Tsantes AE, Nikolopoulos GK, Bagos PG, Vaiopoulos G, Travlou A. **Lack of association between the platelet glycoprotein Ia C807T gene polymorphism and coronary artery disease: a meta-analysis.** 2007, *International Journal of Cardiology*, **118** (2):189-196
  88. Bagos PG, Karnaouri AC, Nikolopoulos GK, Hamodrakas SJ. **No evidence for association of CTLA-4 gene polymorphisms with the risk of developing Multiple Sclerosis: a meta-analysis.** 2007, *Multiple Sclerosis*, **13**(2): 156-168
  89. Bagos PG, Elefsinioti AL, Nikolopoulos GK, Hamodrakas SJ. **The GNB3 C825T polymorphism and Essential Hypertension: a meta-analysis of 34 studies including 14094 cases and 17760 controls,** 2007, *Journal of Hypertension*, **25**(3):487-500
  90. Nikolopoulos GK, Tsantes AE, Bagos PG, Travlou A, Vaiopoulos G. **Integrin, alpha 2 gene C807T Polymorphism and Risk of Ischemic Stroke: a Meta-Analysis.** 2007, *Thrombosis Research*; **119** (4): 501-510
  91. Valavanis IK, Bagos PG, Emiris IZ.  **$\beta$ -barrel Transmembrane Proteins: Geometric Modelling, Detection of Transmembrane Region, and Structural Properties.** *Computational Biology and Chemistry*, 2006, **30**(6):416-24
  92. Bagos PG, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Algorithms for incorporating prior topological information in HMMs: Application to transmembrane proteins.** 2006, *BMC Bioinformatics*; **7**:189
  93. Petsalaki EI, Bagos PG, Litou ZI, Hamodrakas SJ. **PredSL: A tool for the N-terminal sequence-based prediction of subcellular location.** 2006, *Genomics Proteomics and Bioinformatics*, **4**(1); 48-55
  94. Liappas I, Chatzipanagiotou S, Nicolaou C, Tzavellas E, Bagos P, Soldatos CR. **Interrelation of Hepatic Function, Thyroid Activity and Mood Status of Alcohol-dependent Individuals.** *In Vivo*. 2006; **20**(2): 293-300.
  95. Liappas I, Piperi C, Malitas PN, Tzavellas E, Liappas AI, Boufidou F, Kalofoutis CA, Bagos P, Rabavilas A, Kalofoutis A. **Correlation of liver dysfunction biological markers to the mood status of alcohol -dependent individuals,** 2006, *The International Journal of Psychiatry in Clinical Practice*, **10** (3): 166-173.

96. Bagos PG, Nikolopoulos G, Ioannidis A. **Chlamydia pneumoniae infection and the risk of multiple sclerosis: a meta-analysis.** *Multiple Sclerosis* 2006, **12**(4), 397-411
97. Sgourakis NG, Bagos PG, Hamodrakas SJ. **Prediction of the coupling specificity of GPCRs to four families of G-proteins using Hidden Markov Models and Artificial Neural Networks.** *Bioinformatics*, 2005, **21**(22): 4101-6.
98. Sgourakis NG, Bagos PG, Papasaikas PK, Hamodrakas SJ. **Prediction of GPCRs coupling specificity to G-proteins using refined profile hidden Markov models.** *BMC Bioinformatics*, 2005, **6**:104.
99. Bagos PG, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Evaluation of methods for predicting the topology of  $\beta$ -barrel outer membrane proteins and a consensus prediction method.** *BMC Bioinformatics*, 2005, **6**:7.
100. Tsirpanlis G, Bagos P, Ioannou D, Bleta A, Marinou I, Lagouranis A, Chatzipanagiotou S, Nicolaou C. **Serum albumin: a late reacting negative acute phase protein in clinically evident inflammation in dialysis patients.** *Nephrol Dial Transplant*. 2005, **20**:658-659
101. Tsirpanlis G, Bagos P, Ioannou D, Bleta A, Marinou I, Lagouranis A, Chatzipanagiotou S, Nicolaou C. **The variability and accurate assessment of microinflammation in haemodialysis patients.** *Nephrol Dial Transplant*. 2004, **19**(1): 150-157.
102. Tsirpanlis G, Bagos P, Ioannou D, Bleta A, Marinou I, Lagouranis A, Chatzipanagiotou S, Nicolaou C. **Exploring Inflammation in Hemodialysis patients: Persistent and Superimposed Inflammation - a longitudinal study.** *Kidney Blood Press Res*, 2004, **27**:63-70.
103. Elefsinioti AL, Bagos PG, Spyropoulos IC, Hamodrakas SJ. **A database for G Proteins and their interaction with GPCRs.** *BMC Bioinformatics*, 2004, **5**:208.
104. Bagos PG, Liakopoulos TD, Promponas VJ, Hamodrakas SJ. **Topology prediction of  $\beta$ -barrel outer membrane proteins.** *PINSA-B*, 2005, **B71** (1): 19-41.
105. Bagos PG, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Finding beta-barrel outer membrane proteins with a Markov chain model.** *WSEAS Transactions on Biology and Biomedicine*, 2004, **2**(1) 186-189.
106. Spyropoulos IC, Liakopoulos TD, Bagos PG, Hamodrakas SJ. **TMRPres2D - High quality depictions of transmembrane protein subunits.** *Bioinformatics*, 2004, **20**(17) 3258-3260.
107. Papasaikas PK, Bagos PG, Litou ZI, Promponas VJ, Hamodrakas SJ. **PRED-GPCR: GPCR recognition and family classification server.** *Nucleic Acids Res*, 2004, **32**(Web Server Issue):W380-382.
108. Bagos PG, Liakopoulos TD, Spyropoulos IC, Hamodrakas SJ. **PRED-TMBB: A web server for predicting the topology of  $\beta$ -barrel outer membrane proteins.** *Nucleic Acids Res*, 2004, **32**(Web Server Issue). W400-404.
109. Bagos PG, Liakopoulos TD, Spyropoulos IC, Hamodrakas SJ. **A Hidden Markov Model capable of predicting and discriminating  $\beta$ -barrel outer membrane proteins.** *BMC Bioinformatics*, 2004, **5**:29.
110. Papasaikas PK, Bagos PG, Litou ZI, Hamodrakas SJ. **A novel method for GPCR recognition and family classification, using fingerprints derived from profile Hidden Markov Models.** *SAR QSAR Environ Res*, 2003, **14**(5-6): 413-420.
111. Tsirpanlis G, Chatzipanagiotou S, Ioannidis A, Ifanti K, Bagos P, Lagouranis A, Pouloupoulou C, Nicolaou C. **The effect of viable Chlamydia pneumoniae on serum cytokines and adhesion molecules in hemodialysis patients.** *Kidney Int Suppl*. 2003, **84**: S72-5.

## BIBΛΙΑ

1. Μπάγρος, Π., 2015. **Βιοπληροφορική.** [ηλεκτρ. βιβλ.] Αθήνα: Σύνδεσμος Ελληνικών Ακαδημαϊκών Βιβλιοθηκών. Διαθέσιμο στο: <http://hdl.handle.net/11419/5016>.

## ΠΑΗΡΕΙΣ ΔΗΜΟΣΙΕΥΣΕΙΣ ΜΕΤΑ ΑΠΟ ΚΡΙΣΗ ΣΕ ΣΥΛΛΟΓΙΚΟΥΣ ΤΟΜΟΥΣ ΚΑΙ ΠΡΑΚΤΙΚΑ ΔΙΕΘΝΩΝ ΣΥΝΕΔΡΙΩΝ

1. Kontou PI, Pavlopoulou A, Bagos PG. **Methods of Analysis and Meta-Analysis for Identifying Differentially Expressed Genes.** *Methods Mol Biol*. 2018;1793:183-210. doi:



- 10.1007/978-1-4939-7868-7\_12.
2. Dimou NL, Pantavou KG, Braliou GG, Bagos PG. **Multivariate Methods for Meta-Analysis of Genetic Association Studies**. *Methods Mol Biol.* 2018;1793:157-182. doi: 10.1007/978-1-4939-7868-7\_11.
  3. Tsaousis GN, Theodoropoulou MC, Hamodrakas SJ, Bagos PG. **Predicting Alpha Helical Transmembrane Proteins Using HMMs**. *Methods Mol Biol.* 2017;1552:63-82
  4. Tsaousis GN, Hamodrakas SJ, Bagos PG. **Predicting Beta Barrel Transmembrane Proteins Using HMMs**. *Methods Mol Biol.* 2017;1552:43-61
  5. Pavlopoulos GA, Iacucci E, Iliopoulos I, Bagos P **Interpreting the Omics ‘era’ Data Multimedia Services in Intelligent Environments, Smart Innovation, Systems and Technologies** Volume 25, 2013, pp 79-100 79-100
  6. Fimereli DK, Tsirigos KD, Litou ZI, Liakopoulos TD, Bagos PG, Hamodrakas SJ **CW-PRED: a HMM-Based method for the classification of cell wall-anchored proteins of gram-positive bacteria** *Artificial Intelligence: Theories and Applications, Lecture Notes in Computer Science*, 2012, Volume 7297/2012, 285-290, SETN2012
  7. Bagos PG, Hamodrakas SJ. **Bacterial beta-barrel outer membrane proteins: A common structural theme implicated in a wide variety of functional roles**, 2009, In A Daskalaki (Ed) *Handbook of Research on Systems Biology Applications in Medicine*, ISBN10: 1605660760, pp: 182-207
  8. Sgourakis NG, Bagos PG, Hamodrakas SJ. **Computational methods for the prediction of GPCRs coupling selectivity**, 2009, In A Daskalaki (Ed) *Handbook of Research on Systems Biology Applications in Medicine*, ISBN10: 1605660760, pp: 167-181
  9. Bagos PG, Nikolopoulos GK. **Methods for meta-analysis of population-based genetic association studies**. 2006, In BIOSSTAT 2006, Filia Vonta (Ed), *Proceedings of the International Conference on Statistical Models for Biomedical and Technical Systems*, Limassol, Cyprus, pp 212-218.
  10. Bagos PG, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Efficient Training of Hidden Markov Models for protein sequence analysis**. *Proceedings of ICCMSE 2004, Lecture Series on Computers and Computational Science, Vol 1*, pp. 53-56.
  11. Bagos PG, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Faster Gradient Descent Training of Hidden Markov Models, Using Individual Learning Rate Adaptation**. *Proceedings of ICGI 2004 Lecture Notes In Artificial Intelligence, Vol. 3264*, pp. 40-52.
  12. Bagos PG, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Maximum Likelihood and Conditional Maximum Likelihood learning algorithms for Hidden Markov Models with labeled data-Application to transmembrane protein topology prediction**. In T.E. Simos (ed). *Computational Methods in Sciences and Engineering, Proceedings of the International Conference 2003 (ICCMSE 2003)*, World Scientific Publishing Co. Pte. Ltd. Singapore: pp. 47-55.

#### ΠΡΟΦΟΡΙΚΕΣ ΚΑΙ ΑΝΑΡΤΩΜΕΝΕΣ ΑΝΑΚΟΙΝΩΣΕΙΣ ΣΕ ΔΙΕΘΝΗ ΣΥΝΕΔΡΙΑ

1. Margarita Theodoropoulou, Ioannis Mintsopoulos, Pantelis Bagos. **Viterbi Training of Hidden Markov Models for Labeled Sequences**. Joint 25th Annual International Conference on Intelligent Systems for Molecular Biology (ISMB) and 16th European Conference on Computational Biology (ECCB) 2017
2. Ioannis Tamosis, Margarita Theodoropoulou, Konstantinos Tsirigos, Pantelis Bagos. **Extending Hidden Markov Models to allow conditioning on previous observations** Joint 25th Annual International Conference on Intelligent Systems for Molecular Biology (ISMB) and 16th European Conference on Computational Biology (ECCB) 2017
3. G. Kapoula, P. Parcharidis, P. Bagos. **COMPARATIVE CLINICAL EVALUATION OF TWO SECOND AND ONE THIRD GENERATION PARATHYROID HORMONE ASSAY IN BOTH HEALTHY AND HEMODIALYSIS PATIENTS**. Poster Abstracts – EuroMedLab Athens 2017 – Athens, 11-15 June 2017 • DOI 10.1515/cclm-2017-5021 Clin Chem Lab Med 2017; 55, Special Suppl, pp S1 – S1121, June 2017
4. Theodoropoulou M, Tsirigos K, Hamodrakas S and Bagos P. **Recent updates in the Database of Outer Membrane Proteins (OMPdb) in 2016**. F1000Research 2016, 5:2343 (poster) (doi: 10.7490/f1000research.1113157.1) European Conference on Computational Biology -ECCB2016, The Hague, Netherlands, 3-7 September 2016

5. Tsirigos K, Elofsson A and Bagos P. **PRED-TMBB2: Improved topology prediction and detection of beta-barrel outer membrane proteins.**(\*) F1000Research 2016, 5:2342 (poster) (doi: 10.7490/f1000research.1113156.1) European Conference on Computational Biology -ECCB2016, The Hague, Netherlands, 3-7 September 2016
6. Dimou N, Bagos P, **Tools for robust analysis in genome-wide association studies using STATA.** In J. Lorenzo Bermejo, C. Greenwood, J. Houwing-Duistermaat, A.D. Paterson, A. Scherag, N. Tintle, F. Gagnon, A.F. Wilson Eds, 2014. Abstracts from the 23rd Annual Meeting of the International Genetic Epidemiology Society. Vienna, Austria. ISBN 978—1-940377-01-8. pp. 142. Available through: <http://www.geneticipi.org/meeting-abstracts/>
7. Dimou N, Pantavou K, Bagos P, **Apolipoprotein E gene polymorphism and left ventricular failure in beta-thalassemia: A meta-analysis.** In J. Lorenzo Bermejo, C. Greenwood, J. Houwing-Duistermaat, A.D. Paterson, A. Scherag, N. Tintle, F. Gagnon, A.F. Wilson Eds, 2014. Abstracts from the 23rd Annual Meeting of the International Genetic Epidemiology Society. Vienna, Austria. ISBN 978—1-940377-01-8. pp. 213. Available through: <http://www.geneticipi.org/meeting-abstracts/>
8. Dimou N, Bagos P, **A multivariate method for meta-analysis of multiple outcomes in genetic association studies.** Abstracts from the 35th Annual Conference of the International Society for Clinical Biostatistics. Vienna, Austria. pp 26. Available through: <http://www.abstractserver.com/iscb2014/eBook/index.html> [PDF]
9. Tsantes AE, Kopterides P, Bonovas S, Bagos P, Antonakos G, Nikolopoulos GK, Gialeraki A, Kapsimali V, Kyriakou E, Kokori S, Dima K, Armaganidis A, Tsangaris I. **Effect of angiotensin converting enzyme gene I/D polymorphism and its expression on clinical outcome in acute respiratory distress syndrome** *33rd International Symposium on Intensive Care and Emergency Medicine* (\*)
10. Ouzounis C, Hamodrakas S, Iliopoulos I, Bagos P, Promponas V. **The Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics.** Poster presentation. ISMB 2011
11. Theodoropoulou MC, Spyropoulos IC, Bagos PG, Hamodrakas SJ. **GPDB: a database of GPCRs and G-proteins, now integrating information concerning interaction with effectors.** 33rd FEBS Congress and 11th IUBMB Conference, *FEBS JOURNAL* 275: 213-213 Suppl. 1, 2008 (\*)
12. Tsirigos KD, Bagos PG, Plessas SK, Hamodrakas SJ. **A comprehensive analysis of experimentally verified archaeal signal peptides reveals unexpected findings.** 33rd FEBS Congress and 11th IUBMB Conference, *FEBS JOURNAL* 275: 219-219 Suppl. 1, 2008
13. Litou ZI, Bagos PG, Tsirigos KD, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Prediction of sortase substrates in Gram-positive bacteria with a hidden Markov model.** 33rd FEBS Congress and 11th IUBMB Conference, *FEBS JOURNAL* 275: 224-224 Suppl. 1, 2008 (\*)
14. Bagos PG, Nikolopoulos GK. **Generalized least squares for assessing trends in cumulative meta-analysis with applications in genetic epidemiology.** *28<sup>th</sup> Annual Conference of the International Society for Clinical Biostatistics* (ISCB). Alexandroupolis, Greece, 2007 (\*)
15. Bagos PG, Bersimis S. **Discriminating and clustering membrane proteins using the exact distribution of various scans-based rules.** *28<sup>th</sup> Annual Conference of the International Society for Clinical Biostatistics* (ISCB). Alexandroupolis, Greece, 2007.
16. Nikolopoulos GK, Tsantes AE, Bagos PG, Tsiara CG, Mantzios GP, Kapsimali V, Pappa V, Travlou AS. **Association between the plasminogen activator inhibitor-1 4G/5G gene polymorphism and ischemic stroke; A meta-analysis.** *Blood*, 108 (11): 4010 Part 2; 2006
17. A. Tsantes, G. Nikolopoulos, P. Bagos, G. Gialeraki, P. Mantzios, S. Travlou. **Platelet glycoprotein 1a C807T polymorphism as a risk factor for coronary artery disease: a meta-analysis.** 11th Congress of the European Hematology Association, Amsterdam, June 15<sup>th</sup>-18th, 2006
18. A. Tsantes, P. Bagos, G. Nikolopoulos, I. Merkouri, S. Travlou. **Correlation of Platelet glycoprotein 1a C807T polymorphism and risk for cerebrovascular disease: a meta-analysis.** 11th Congress of the European Hematology Association, Amsterdam, June 15<sup>th</sup>-18th, 2006
19. Bagos PG, Nikolopoulos GK. **Methods for meta-analysis of population-based genetic association studies.** 2006, BIOSTAT 2006, *International Conference on Statistical Models for Biomedical and Technical Systems*, Limassol, Cyprus (\*)
20. Tsirigos CD, Bagos PG, Promponas VJ, Hamodrakas SJ. **Enhancing Transmembrane**

- beta-Barrel Topology Prediction by Information Encoded in Multiple Sequence Alignments.** European Conference on Computational Biology - ECCB 2006, Eilat, Israel
21. Bagos PG, Hamodrakas SJ. **Algorithms for structure prediction of bacterial beta-barrel outer membrane proteins.** 2<sup>nd</sup> International Greek Biotechnology Forum (IGBF2), DAIS Cultural Center, Athens, Greece, 1-3 July 2005 (**invited speaker**)
  22. Bagos PG, Hamodrakas SJ. **Auxiliary algorithms for drug-target selection.** 1<sup>st</sup> International Conference of the Hellenic Proteomics Society, Athens, Greece, May 22-25, 2005.
  23. Petsalakis EI, Bagos PG, Litou ZI, Hamodrakas SJ. **N-terminal sequence-based prediction of subcellular location.** *Bio.SysBio: Bioinformatics and Systems Biology Conference.* Edinburgh, UK. *BMC Bioinformatics* 2005, **6**(Suppl 3):S11.
  24. Bagos PG, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Efficient Training of Hidden Markov Models for protein sequence analysis.** International Conference on Computational Methods in Sciences and Engineering, 2004 (ICCMSE 2004), Athens, Greece. (\*)
  25. Bagos PG, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Faster Gradient Descent Training of Hidden Markov Models, Using Individual Learning Rate Adaptation.** International Colloquium on Grammatical inference 2004 (ICGI 2004), Athens, Greece, October 11-13, 2004. (\*)
  26. Bagos PG, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Maximum Likelihood and Conditional Maximum Likelihood learning algorithms for Hidden Markov Models with labeled data-Application to transmembrane protein topology prediction.** International Conference on Computational Methods in Sciences and Engineering, 2003 (ICCMSE 2003), Kastoria, Greece. (\*)
  27. Bagos PG, Liakopoulos TD, Hamodrakas SJ. **Finding beta-barrel outer membrane proteins with a markov chain model.** WSEAS International Conference in Mathematical Biology and Ecology, 2004, Corfu, Greece. (\*)
  28. Papasaïkas PK, Bagos PG, Litou, ZI and Hamodrakas SJ. **A novel method for GPCR recognition and family classification, using fingerprints derived from profile Hidden Markov Models.** CMTPI-2003, Computational Methods in Toxicology and Pharmacology Integrating Internet Resources (Thessaloniki, Greece, September 17–19, 2003). (\*)
  29. Tsirpanlis G, Bagos P, Ioannou D, Bleta A, Marinou I, Lagouranis A, Chatzipanagiotou S, Nicolaou C. **Exploring Inflammation in Hemodialysis patients: Persistent and Superimposed Inflammation - a longitudinal study.** World Congress of Nephrology, Berlin, Germany, 8–12 June 2003. (\*)
  30. Tsirpanlis G, Chatzipanagiotou S, Ioannidis A, Ifanti K, Bagos P, Lagouranis A, Pouloupoulou C, Nicolaou C. **The effect of viable Chlamydia pneumoniae on serum cytokines and adhesion molecules in hemodialysis patients.** International Congress on Mechanisms of Uremic Toxicity, Uremia and the Cardiovascular System, Würzburg, Germany, September 13-16, 2002. (\*)

(\*) Εκτεταμένες περιλήψεις των εργασιών αυτών δημοσιεύτηκαν έπειτα από κρίση, είτε σε συλλογικούς τόμους με τα πρακτικά των συνεδρίων είτε σε διεθνή περιοδικά (βλ παραπάνω).

#### ΔΗΜΟΣΙΕΥΣΕΙΣ ΣΕ ΕΛΛΗΝΙΚΑ ΠΕΡΙΟΔΙΚΑ

---

1. Μπάγρος ΠΓ, Χαμόδρακας ΣΙ. **Ο ρόλος και η σημασία των βιοπληροφορικών μεθόδων στην πρόγνωση της δομής των πρωτεϊνών της εξωτερικής μεμβράνης των βακτηρίων.** *BIO*, 2006. 14: 48-55
2. Τσιάρρα Χ, Μπάγρος Π, Παπαδημόπουλος Δ, Παρασκευά Δ, Νικολόπουλος Γ. **Σκλήρυνση κατά πλάκας και αμάλαμα: Μέτα-ανάλυση επιδημιολογικών μελετών.** *Στοματολογία*, 2006, **63**(3):103-111

#### ΛΟΓΙΣΜΙΚΟ ΒΙΟΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗΣ ΚΑΙ ΒΙΟΣΤΑΤΙΣΤΙΚΗΣ

---

<http://www.compgen.org/tools>

1. **PRED-TMBB:** Prediction of transmembrane beta-strands of outer membrane proteins (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/PRED-TMBB>)

2. **PRED-TMBB2**: Improved topology prediction and detection of beta-barrel outer membrane proteins (<http://www.compgen.org/tools/PRED-TMBB2>)
3. **HMMpTM**: Combined prediction of membrane protein topology and post-translational modification (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/HMMpTM/>)
4. **HMM-TM**: Prediction of transmembrane alpha-helices with the incorporation of experimental information (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/HMM-TM>)
5. **MCMBB**: Discrimination of transmembrane beta-barrels from water soluble proteins (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/mcmbb>)
6. **ConBBPRED**: Consensus method for prediction of transmembrane beta-strands (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/ConBBPRED>)
7. **PRED-GPCR**: Classification of GPCRs into families (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/PRED-GPCR>)
8. **PRED-COUPLE**: Prediction of GPCRs coupling specificity to G-proteins (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/PRED-COUPLE>)
9. **PRED-COUPLE2**: Prediction of GPCRs coupling specificity to G-proteins, including promiscuous coupling and coupling to G12/13 (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/PRED-COUPLE2>)
10. **CWPRED**: Prediction of cell-wall anchored proteins of GRAM positive bacteria (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/CWPRED>)
11. **PredSL**: Prediction of subcellular localization of eukaryotic proteins (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/PredSL/>)
12. **gpDB**: Database of GPCRs and their interaction with G-proteins (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/gpDB>)
13. **TMRpres2D**: Two-dimensional depiction of transmembrane protein models (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/TMRpres2D>)
14. **NON-RED**: Creation of non-redundant sequence datasets using the algorithm #2 of Hobohm et al, (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/NON-RED/>)
15. **PRED-LIPO**: Prediction of lipoprotein signal peptides in Gram-positive Bacteria (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/PRED-LIPO/>)
16. **PRED-SIGNAL**: Prediction of signal peptides in Archaea (<http://bioinformatics.biol.uoa.gr/PRED-SIGNAL/>)
17. **PRED-TAT**: Prediction of Twin Arginine signal peptides in Bacteria (<http://www.compgen.org/tools/PRED-TAT/>)
18. **metagen**: STATA program for meta-analysis of genetic association studies (<http://www.compgen.org/tools/metagen>)
19. **metatrend**: STATA program for estimating trends in cumulative meta-analysis (<http://www.compgen.org/tools/metatrend>)
20. **STATA programs for multivariate meta-analysis of genetic association studies** including models for continuous and discrete outcomes, prospective and retrospective likelihood, and the genetic model-free approach (<http://www.compgen.org/tools/multivariate-genetic>)
21. **Poisson meta-analysis**: Mixed-Effects Poisson Regression Models for Meta-Analysis of Follow-Up Studies with Constant or Varying Durations (<http://www.compgen.org/tools/poisson-meta-analysis>)
22. **Haplotype meta-analysis**: STATA programs for meta-analysis of haplotype association studies (<http://www.compgen.org/tools/haplotype>)
23. **meta-tdt**: Meta-analysis of Family-based and Case-control Genetic Association Studies That Use the Same Cases (<http://www.compgen.org/tools/meta-tdt>)
24. **gllamm**: meta-analysis in STATA using gllamm (<http://www.compgen.org/tools/gllamm>)
25. **regression**: the covariance of regression coefficients calculated from summary data (<http://www.compgen.org/tools/regression>)
26. **multiple**: A Multivariate Method for Meta-Analysis of Multiple Outcomes in Genetic Association Studies (<http://www.compgen.org/tools/multiple-outcomes>)
27. **GWAR**: robust methods for analysis and meta-analysis of GAS and GWAS (<http://www.compgen.org/tools/GWAR>)

## ΠΡΟΣΚΕΚΛΗΜΕΝΕΣ ΟΜΙΛΙΕΣ

---

- **Big data and meta-analysis in Public Health**, presented at the Department of Public Health, University of Thessaly, 2019 (in Greek)
- **Meta-analysis of genetic association and genomewide association studies**, presented at the Medical School of the University of Patras, 2018 (in Greek)
- **Meta-analysis of Genomic Data**, presented at the University of Cyprus Medical School, Nicosia, 2017 (in Greek)
- **Genetic Epidemiology**, presented at the University of Cyprus Medical School, Nicosia, 2017 (in Greek)
- **Meta-analysis of large-scale genomics data**, presented at the "4th Forum of Biosciences and Cancer: From diagnosis to treatment", Athens, 2017 (in Greek)
- **Protein Databases and Sequence Analysis Tools at the University of Thessaly**, presented at the "Infrastructures for Life Science's Big Data and the role of ELIXIR" meeting, Athens (in English), 2016
- **Bioinformatics Education in Greece**, presented at the Conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics (HSCBB), in English, 2015
- **The MSc Programme on "Computational Medicine and Biology"**, presented at the Conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics (HSCBB), 2015
- **Integration of data from multiple sources: meta-analysis and synthesis analysis**, presented at the Athens University of Economics and Business, 2015
- **Specialized Protein Databases in Greece**, presented at the Protein Bioinformatics and Community Resources retreat, Wellcome Trust Conference Centre, 2014
- **Hidden Markov Models for the prediction of bacterial signal peptides and other sorting signals**, presented at the SciLifeLab, Stockholms University, 2014
- **Markov models and Hidden Markov Models in Bioinformatics**, presented at the Department of Biochemistry and Biotechnology, University of Thessaly, 2013
- **Multivariate meta-analysis**, presented at New York University School of Medicine, 2012 (in English)
- **Meta-analysis of correlated data**, presented at the Department of Mathematics, University of Athens, 2011 (in English)
- **Bioinformatics and Computational Biology in Greece: a bibliometric study**, presented at the Conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics (HSCBB), 2010 (in English)
- **Computational and Statistical Genetics**, presented at the 32nd Conference of the Hellenic Society of Biological Sciences (HSBS), 2010 (in Greek)
- **Computational Biology and Bioinformatics at the University of Central Greece**, presented at the Athens ELIXIR meeting, 2009 (in English)
- **Computational analysis of G-protein coupled receptors**, presented at the 4th Hellenic Crystallographic Association (HeCrA) Conference, 2008 (in English)
- **Hidden Markov Models and applications in Bioinformatics: Prediction of transmembrane topology and signal peptides**, presented at the Conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics (HSCBB), 2008 (in English)
- **Prediction of  $\beta$ -barrel outer membrane proteins: application to complete genomes**, presented at the Hellenic Bioinformatics Forum (HBF), 2007 (in English)
- **Genetic polymorphisms and diseases: meta-analysis of genetic association studies**, presented at the 29th Conference of the Hellenic Society of Biological Sciences (HSBS), 2007

(in Greek)

- **Hidden Markov Models and applications in biology**, presented at the Athens University of Economics and Business, 2006 (in Greek)
- **Algorithms for structure prediction of bacterial  $\beta$ -barrel outer membrane proteins**, presented at the International Greek Biotechnology Forum (IGBF), 2005 (in English)

#### **ΚΡΙΤΗΣ ΓΙΑ ΕΠΙΣΤΗΜΟΝΙΚΕΣ ΟΡΓΑΝΩΣΕΙΣ ΚΑΙ ΠΕΡΙΟΔΙΚΑ**

---

- Κριτής για ερευνητικά προγράμματα
  - Επιχορηγούμενα από το Υπουργείο Έρευνας και Τεχνολογίας της Γαλλικής Δημοκρατίας (MINISTERE DELEGUE A LA RECHERCHE ET AUX NOUVELLES TECHNOLOGIES) στη δράση: «Biologie cellulaire, moléculaire et structurale (BCMS)» 2004
  - Επιχορηγούμενα από το National Institute for Social Care and Health Research (NISCHR), Wales, UK, 2011
  - Επιχορηγούμενα από το Israel Science Foundation (ISF), 2012
  - Διάφορα προγράμματα της ΓΓΕΤ (ΣΥΝΕΡΓΑΣΙΑ, ΑΡΙΣΤΕΙΑ, ΕΔΒΜ κ.ο.κ.)
  - Κριτής για υποτροφίες του ΙΚΥ
- Κριτής για τα διεθνή περιοδικά:
  - **BMC Bioinformatics**
  - **BMC Biology**
  - **Nucleic Acids Research**
  - **Bioinformatics**
  - **FEBS Letters**
  - **Proteins: Structure, Function and Bioinformatics**
  - **BMC Cell Biology**
  - **Protein Science**
  - **PLoS ONE**
  - **Molecular Simulation**
  - **Journal of Proteome Research**
  - **BBA – Proteins and Proteomics**
  - **Chest**
  - **Journal of Hypertension**
  - **American Journal of Hypertension**
  - **Hypertension Research**
  - **European Journal of Neurology**
  - **European Journal of Endocrinology**
  - **International Journal of Immunogenetics**
  - **Journal of Applied Oral Science**
  - **Physiological Genomics**
  - **Pharmacogenetics and Genomics**
  - **The Breast**
  - **Human Molecular Genetics**
  - **Journal of Medical Genetics**
  - **Disease Markers**
  - **Journal of Medical Microbiology**

- **Bioorganic & Medicinal Chemistry**
- **Yonsei Medical Journal**
- **Archives of Oral Biology**
- **Amino acids**
- **Computers in Biology and Medicine**
- **Journal of Clinical Epidemiology**
- **International Journal of Biostatistics**
- **Statistical Applications in Genetics and Molecular Biology**
- **Statistics in Medicine**
- **Statistical Methods in Medical Research**
- **BMC Medical Research Methodology**
- **American Journal of Epidemiology**
- **Genetic Epidemiology**
- **BMC Medical Genetics**
- **Genomics Proteomics and Bioinformatics**
- **Computational Statistics and Data Analysis**
- **Gene**
- **Molecular Biology Reports**
- **Genetic Testing and Molecular Biomarkers**
- **Biostatistics**
- **The Journal of Obstetrics and Gynaecology Research**
- **Circulation**
- **Research Synthesis Methods**
- Μέλος της Επιτροπής Σύνταξης (**Editorial Board-Associate Editor**) των διεθνών περιοδικών
  - **BMC Research Notes**
  - **PloS ONE**
  - **The Open Bioinformatics Journal**

---

#### **ΣΥΜΜΕΤΟΧΗ ΣΕ ΕΠΙΣΤΗΜΟΝΙΚΕΣ ΟΡΓΑΝΩΣΕΙΣ**

---

- Member of the Organizing Committee and co-chair of the ECCB2018 (Athens)
- Μέλος της International Society for Computational Biology (ISCB)
- Μέλος της Πανελλήνιας Ένωσης Βιοεπιστημόνων (ΠΕΒ)
- Μέλος της American Statistical Association (ASA)
- Μέλος της Ελληνικής Εταιρία Βιολογικών Επιστημών (ΕΕΒΕ)
  - ✓ Συντονιστής συνεδρίας παρουσιάσεων αναρτώμενων ανακοινώσεων (posters) στο 29<sup>ο</sup> συνέδριο της ΕΕΒΕ (2007)
  - ✓ Συντονιστής συνεδρίας παρουσιάσεων αναρτώμενων ανακοινώσεων (posters) στο 30<sup>ο</sup> συνέδριο της ΕΕΒΕ (2008)
  - ✓ Μέλος της Οργανωτικής Επιτροπής στο 39<sup>ο</sup> συνέδριο της ΕΕΒΕ (2017)
- Ιδρυτικό μέλος της Ελληνικής Εταιρίας Υπολογιστικής Βιολογίας και Βιοπληροφορικής (ΕΕΥΒΒ)
  - ✓ Συν-διοργανωτής του 1st Greek Bioinformatics & Medical Informatics Forum (2007)
  - ✓ Μέλος της Επιστημονικής Επιτροπής του conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics HSCBB08, HSCBB09, HSCBB10, HSCBB11

HSCBB12, HSCBB13, HSCBB14, HSCBB15, HSCBB16, HSCBB17

- ✓ Μέλος του Δ.Σ. και Ταμίας της ΕΕΥΒΒ (2009-2013)
- ✓ Μέλος του Δ.Σ. και Αντιπρόεδρος της ΕΕΥΒΒ (2013-)
- Μέλος της Επιστημονικής Επιτροπής του BBCC2017 και BBCC2018 (International Conference, affiliated with the ISCB)
- Μέλος του Ελληνικού Στατιστικού Ινστιτούτου (ΕΣΙ)
  - ✓ Μέλος της Οργανωτικής και Επιστημονικής Επιτροπής του 31<sup>ου</sup> Πανελληνίου Συνεδρίου Στατιστικής (Λαμία, 2018)
- Μέλος της Επιστημονικής Επιτροπής του MIND Workshop (Mining Complex Entities from Network and Biomedical Data), Co-located with ECML/PKDD 2011, European Conference on Machine Learning and Principles and Practice of Knowledge Discovery in Databases;
- Μέλος της Επιστημονικής Επιτροπής του 8th IEEE International Conference on BioInformatics and BioEngineering (BIBE), Athens (2008)
- Μέλος του ΔΣ του Ελληνικού Κόμβου της Ευρωπαϊκής Υποδομής ELIXIR (ELIXIR-GR), ως αντιπρόσωπος του ΠΘ, Αναπληρωτής Συντονιστής Εκπαίδευσης (2016-)
- Member of the Steering Committee of BMBS COST Action BM1405: Non-globular proteins - from sequence to structure, function and application in molecular physiopathology (NGP-NET)
- Member of the Steering Committee of the ELIXIRgr node in which he is deputy head of training and member of the international specialized protein resources network (SPRN).
- Μέλος και Γραμματέας του Δ.Σ. του συλλόγου φοιτητών του Βιολογικού Τμήματος του ΕΚΠΑ «Ο ΗΣΙΟΔΟΣ» (1995-1997)

#### **ΥΠΟΤΡΟΦΙΕΣ-ΔΙΑΚΡΙΣΕΙΣ**

---

- Από 02/2007 έως 01/2008, μεταδιδακτορικός υπότροφος του Ιδρύματος Κρατικών Υποτροφιών (ΙΚΥ), για το πρόγραμμα με τίτλο «Αλγόριθμοι μηχανικής μάθησης στη Βιοπληροφορική» στη θεματική περιοχή ΠΛΗΡΟΦΟΡΙΚΗ-ΜΑΘΗΜΑΤΙΚΑ.
  - Από το Νοέμβριο του 2002 έως και τον Μάιο του 2005, υπότροφος του Προγράμματος ΗΡΑΚΛΕΙΤΟΣ-Υποτροφίες για τη βασική έρευνα στο Παν/μιο Αθηνών, στα πλαίσια της διδακτορικής διατριβής. Φορέας χρηματοδότησης: ΕΠΕΑΕΚ-II
  - Κατά την διάρκεια των Ακαδημαϊκών ετών 1999-2000 και 2000-2001 ελάμβανα υποτροφία, λόγω ακαδημαϊκών επιδόσεων, από το Π.Μ.Σ. «ΒΙΟΣΤΑΤΙΣΤΙΚΗΣ» (ΕΠΕΑΕΚ)
-



**ΣΥΝΟΨΗ ΤΟΥ ΔΗΜΟΣΙΕΥΜΕΝΟΥ ΕΡΓΟΥ**

---

<http://www.compgen.org/people/pbagos>

**ΣΥΝΟΛΙΚΟΣ ΑΡΙΘΜΟΣ ΔΗΜΟΣΙΕΥΣΕΩΝ ΣΕ ΔΙΕΘΝΗ ΠΕΡΙΟΔΙΚΑ ΜΕΤΑ ΑΠΟ ΚΡΙΣΗ**

---

- 110

**ΣΥΝΟΛΙΚΟΣ ΑΡΙΘΜΟΣ ΔΗΜΟΣΙΕΥΣΕΩΝ ΣΕ ΣΥΛΛΟΓΙΚΟΥΣ ΤΟΜΟΥΣ ΚΑΙ ΠΡΑΚΤΙΚΑ ΔΙΕΘΝΩΝ ΣΥΝΕΔΡΙΩΝ ΜΕΤΑ ΑΠΟ ΚΡΙΣΗ**

---

- 12

**ΣΥΝΟΛΙΚΟΣ ΑΡΙΘΜΟΣ ΒΙΒΛΙΩΝ**

---

- 1

**ΑΝΑΦΟΡΕΣ ΣΤΗ ΔΙΕΘΝΗ ΒΙΒΛΙΟΓΡΑΦΙΑ**

---

Google Scholar citations= 4485, h-index=36, m-index=2.25

Scopus citations= 3026, h-index=31, m-index=1.937

**ΠΡΟΦΟΡΙΚΕΣ ΚΑΙ ΑΝΑΡΤΩΜΕΝΕΣ ΑΝΑΚΟΙΝΩΣΕΙΣ ΣΕ ΔΙΕΘΝΗ ΣΥΝΕΔΡΙΑ**

---

- 30

**ΠΡΟΦΟΡΙΚΕΣ ΚΑΙ ΑΝΑΡΤΩΜΕΝΕΣ ΑΝΑΚΟΙΝΩΣΕΙΣ ΣΕ ΕΘΝΙΚΑ ΣΥΝΕΔΡΙΑ**

---

- >140

**ΣΥΝΟΛΙΚΟΣ ΔΕΙΚΤΗΣ ΕΠΙΡΡΟΗΣ (IMPACT FACTOR) ΔΗΜΟΣΙΕΥΜΕΝΩΝ ΕΡΓΑΣΙΩΝ**

---

- 361,514 (3.286/paper)